

IN VITRO DIAGNOSZTIKAI HASZNÁLATRA. CSAK EXPORTÁLÁSI CÉLOKRA.

Rendeltetés

Az Illumina® DNA Prep with Enrichment Dx készlet egy reagensekből és fogyóeszközökből álló készlet, amely emberi sejtekből és szövetekből származó genomikus DNS-ből mintakönyvtárak készítéséhez használatos *in vitro* diagnosztikai eljárások létrehozása érdekében. A felhasználó által biztosított próbapanelek szükségesek a genom bizonyos területeit megcélzó könyvtárak elkészítéséhez. A létrehozott mintakönyvtárak az Illumina szekvenálórendszerain való használatra szolgálnak. A Illumina® DNA Prep with Enrichment Dx szoftver a szekvenálási futtatás beállítására, monitorozására és elemzésére szolgál.

Az eljárás működési elve

Az Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet az emberi sejtekből és szövetekből származó genomiai DNS-ből származó cél régiók számára dúsított DNS-szekvenálási könyvtárak manuális előkészítésére szolgál.

A céldúsításhoz a felhasználó által biztosított biotinilált oligonukleotid panelek szükségesek. Az Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet kompatibilis a panelméretek széles választékával, beleértve a kis paneleket (< 20 000 szonda) és a nagy paneleket is (> 200 000 szonda). A létrehozott dúsított könyvtárak szekvenálásra szolgálnak a Illumina szekvenálási rendszereken.

Az Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet eljárás a következő lépésekből áll:

- **Genomikai DNS címkézése** – A Enrichment BLT Small (eBLTS) segítségével címkézi fel a DNS bemenetet. A címkézés során a gDNS fragmentálódik, és adapterekkel kerül felcímkézésére egyetlen lépésben. Legalább 50 ng DNS-bemenet szükséges a eBLTS telítéséhez a címkézési reakcióban. Telített állapotban a eBLTS töredékek meghatározott számú DNS-molekulát tartalmaznak, hogy egységes méretű, normalizált könyvtárakat hozzanak létre.
- **Címkézés utáni tisztítás** – Feltisztítja az adapterrel ellátott DNS-t az amplifikációhoz való eBLTS felhasználásra.
- **Tagmentált DNS amplifikálása** – Amplifikálja a tagmentált DNS-t egy korlátozott ciklusú PCR program segítségével. A DNS-fragmentumok végén egyedi kettős (UD) indexek kerülnek hozzáadásra, amelyek lehetővé teszik a DNS-könyvtárak kettős egyedi vonalkódolását és a klaszter létrehozását a szekvenálás során.
- **Könyvtárak tisztítása** – Gyöngy tisztítási eljárást alkalmaz az amplifikált DNS könyvtárak megtisztításához és méretének kiválasztásához.
- **Könyvtárak** – Egyedülálló indexekkel rendelkező DNS könyvtárakat egyesít akár 12 könyvtárból álló pool-ban. Könyvtárakat kötet vagy tömeg szerint is összevonhat.
- **Szondák hibridizálása** – Hibridizációs reakcióból áll, amelynek során a kétszálú DNS könyvtárakat denaturálják, és a biotinilált DNS szondák paneljét hibridizálják a célzott genomikai régiókra.

- A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet több panellel kompatibilis. A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet nem tartalmaz dúsító panelt. A próbapaneleket a felhasználó biztosítja, és meg kell felelniük a szükséges specifikációknak. A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet reagensek kompatibilisek mind a Illumina és harmadik féltől származó dúsító DNS oligonukleotid panelekkel, amelyek megfelelnek a szükséges specifikációknak. A harmadik féltől származó panelek szükséges specifikációival kapcsolatban lásd: [Dúsítási szondapanel követelményei a 10. oldalon](#)
- **Hibrid szondák rögzítése** – A Streptavidin Magnetic Beads (SMB3) segítségével rögzíti a célterületekre hibridizált biotinilált szondákat.
- **Amplifikált, dúsított könyvtárak** – PCR segítségével amplifikálja a dúsított könyvtárakat.
- **Amplifikált dúsított könyvtárak tisztítása** – Gyöngytisztítási eljárással tisztítja meg a dúsított, szekvenálásra kész könyvtárakat.
- **Szekvenálás** – A dúsított könyvtárak szekvenálása MiSeqDx, NextSeq 550Dx vagy NovaSeq 6000Dx szekvenálási rendszereken történik. A MiSeqDx és a NextSeq 550Dx esetén az integrált DNA GenerateFASTQ Dx Local Run Manager modul az alaphívásokból származó futtatási beállítások, futtatásfelügyelet és FASTQ-generálás szekvenálására szolgál. A DRAGEN Server és NovaSeq 6000Dx kiszolgálóval rendelkező NextSeq 550Dx esetén az DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx alkalmazás számos elérhető munkafolyamattal rendelkező futtatási beállításra és másodlagos elemzésre szolgál.

Az eljárás korlátai

- *In vitro* diagnosztikai használatra.
- Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet kompatibilis az emberi sejtekből és szövetekből származó genomiális DNS-sel.
- Az Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet 50–1000 ng közötti kettős szálú gDNS bemenetekkel kompatibilis. A teljesítmény nem garantált az ezen küszöbértékeken kívüli bemenetek esetén.
- Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet nem tartalmazza a DNS-extrakcióhoz szükséges reagenseket. Az analitikai vizsgálati eredményeket, beleértve az interferencia tesztelést is, a [Teljesítményjellemzők a 59. oldalon](#) megadva, teljes vérrel és FFPE-vel, reprezentatív mintatípusként kapták reprezentatív DNS extrakciós készletekkel. A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet reagensekkel való használatra kifejlesztett összes diagnosztikai teszthez teljes körű validálás szükséges a választott DNS extrakciós készlet teljesítményével kapcsolatban.
- A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet nem ajánlott gyenge minőségű FFPE-mintákhoz, ha a $\Delta Cq > 5$. Ha olyan mintákat használ, amelyeknél a $\Delta Cq > 5$, az növelheti a könyvtár előkészítésének sikertelenségét, és csökkentheti a vizsgálat teljesítményét.

illumina® Illumina DNA Prep with Enrichment Dx csomagmelléklettel

- A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet reagenseket konfiguráltak és tesztelték a mintabemenetre, a dúsítási reakciókra és a plexitásra vonatkozóan az alábbi táblázatban jelzettek szerint.

Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet	Mintabevitel	Dúsítási reakciók	Dúsítási plexitás
16-mintás készlet	Alacsony minőség (FFPE)	16 reakció	1-plex
96-mintás készlet	Kiváló minőség (pl. teljes vér)	8 reakció	12-plex

- Az FFPE bemeneti feldolgozást már tesztelték, és kizárólag 1-plex dúsítási reakciókhoz ajánlott a 16-mintás készlet használata esetén.
- A 96-mintás készlet esetében nem standard plexitások (2-plex – 11-plex) lehetségesek, de a következő korlátozásokkal rendelkeznek:
 - A minták feldolgozása 2-plex és 11-plex dúsítási reakciókban csökkenti a készlet átbocsátóképességét.
 - Az optimális eredmények nem garantáltak. A nem szabványos plexitásokhoz megfelelő dúsítási hozam elérése további optimalizálást igényelhet.
 - Az alacsony plexitású (2-plex és 8-plex közötti) poolozási stratégiákhoz különböző szekvenciájú indexadapterek kiválasztása szükséges a színegyensúly optimalizálásához a sikeres szekvenáláshoz és adatelemzéshez. A MiSeqDx és a NextSeq 550Dx DNA GenerateFASTQ Dx modulja a futtatás beállítása során a színegyensúly-index kombinációk lehetőségeit kínálja. A poolozási stratégiákkal kapcsolatos további információkért lásd: [Összevonási módszerek a 34. oldalon](#).
- A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet csak a MiSeqDx, NextSeq 550Dx és NovaSeq 6000Dx rendszereken szekvenált dúsított könyvtárakra korlátozódik. Más szekvenálási rendszerek használata teljes körű validálást igényel a teljesítmény minden vonatkozásában.
- A termék nem tartalmaz dúsító paneleket. A [Teljesítményjellemzők a 59. oldalon](#) részben megadott analitikai vizsgálati eredményeket reprezentatív dúsító panelekkel kapták, és csak tájékoztatási célokat szolgálnak. Az analitikai teljesítményjellemzők a vizsgálat általános képességeit példázzák, és nem határozzák meg a képességeket vagy az alkalmasságot semmilyen konkrét vizsgálati állításra vonatkozóan. Az ezekkel a reagensekkel történő használatra kifejlesztett valamennyi diagnosztikai teszt teljes körű validálást igényel minden teljesítménybeli szempont tekintetében.
- Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet kompatibilis mind a Illumina mind a és harmadik féltől származó dúsítópanelekkal. Azonban a harmadik féltől származó dúsítópanelek teljesítménye nem garantált, ha azok nem felelnek meg a panel követelményeinek. A panelekre vonatkozó követelményeket lásd: [Dúsítási szondapanel követelményei a 10. oldalon](#).
- Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet 2 órás hibridizációs időt használ. Hosszabb hibridizációs idő alkalmazása befolyásolhatja a teljesítménymutatókat.
- A MiSeqDx és NextSeq 550Dx DNA GenerateFASTQ Dx Local Run Manager modulok csak FASTQ fájlokot szolgáltatnak. Ha ezeket a modulokat használja, akkor el kell végeznie a másodlagos elemzés validálását.

- Az DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx alkalmazás elérhető a következő helyen: NextSeq 550Dx DRAGEN Server és NovaSeq 6000Dx. Az alkalmazás több másodlagos elemzési munkafolyamatot támogat, beleértve a FASTQ generálást, a FASTQ és VCF generálást csírvonal variáns kimutatáshoz, és a FASTQ és VCF generálást szomatikus variáns kimutatáshoz. Ha az alkalmazást VCF-generáláshoz használja, akkor nem kell másodlagos elemzés validálását elvégeznie. Az alkalmazás korlátai a következők:
 - A > 18 bp hosszúságú beillesztések és a > 21 bp hosszúságú törlések nem lettek validálva.
 - A nagy variánsok, beleértve a több nukleotidból álló variánsokat (MNV-k) és a nagy indelek, a kimeneti VCF-fájlban különálló kisebb variánsokként szerepelhetnek.
 - A kis MNV-eket külön változatként jelentik a kimeneti VCF fájlban.
 - A VCF fájlban a deléciók jelentése a VCF formátum szerinti megelőző bázis koordinátáján történik. Ezért vegye figyelembe a szomszédos variánsokat, mielőtt azt leletezné, hogy egy egyedi bázisazonosítás homozigóta referencia.
 - Csak a csírvonal munkafolyamatra vonatkozó korlátozások:
 - Az DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx Alkalmazás Germline FASTQ és VCF generációs elemzési munkafolyamatát úgy tervezték, hogy kvalitatív eredményeket adjon csírvonal variáns hívásához (pl. homozigóta, heterozigóta, vad típusú).
 - A másolatszám befolyásolhatja, hogy egy variáns homozigótaként vagy heterozigótaként kerül azonosításra.
 - A rendszer egyetlen lókuszon nem jelenít meg két változatnál többet, még a másolási szám változása esetén sem.
 - Csak a szomatikus munkafolyamatra vonatkozó korlátozások:
 - Az DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx alkalmazás Szomatikus FASTQ és VCF generációs elemzési munkafolyamatát úgy tervezték, hogy kvalitatív eredményeket adjon a szomatikus variáns hívásához (azaz szomatikus variáns jelenléte esetén).
 - A Szomatikus FASTQ és VCF generációs elemzési munkafolyamat nem képes különbséget tenni a csírvonal és a szomatikus változatok között. A munkafolyamat a gyakoriságok nagy tartományában előforduló variánsok kimutatására szolgál, azonban a variáns gyakorisága nem használható a szomatikus és a csírvonalbeli variánsok elkülönítésére.
 - A mintában található egészséges szövetek befolyásolják a variánsok kimutatását. Az említett kimutatási határérték a daganatos szövetből és az egészséges szövetből kivont variáns és normál DNS gyakorisága közötti arányon alapul.
 - Ha egynél több variáns allélt hívnak ugyanabban a lókuszban, egyik allél sem lesz sikeres variánsként jelentve. Ehelyett az allélok teljes készlete jelentésre kerül, de szűrésre kerül a multiallelikális címke segítségével.

A termék összetevői

A(z) Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet a következő komponensekből áll:

- Illumina DNA Prep with Enrichment Dx with UD Indexes Set A, katalógusszám: 20051354 (16 minta) vagy 20051352 (96 minta)
- Illumina DNA Prep with Enrichment Dx with UD Indexes Set B, katalógusszám: 20051355 (16 minta) vagy 20051353 (96 minta)
- Local Run Manager DNA GenerateFASTQ Dx Modul a NextSeq 550Dx rendszerhez, katalógusszám: 20063024
- Local Run Manager DNA GenerateFASTQ Dx Modul a MiSeqDx-hez, katalógusszám: 20063022
- DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx alkalmazás a NovaSeq 6000Dx-hez, katalógusszám: 20074609
- DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx alkalmazás a NextSeq 550Dx-hez, katalógusszám: 20074730

Szállított reagensek

A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx kitöltéséhez a szükséges Illumina DNA Prep with Enrichment Dx with UD Indexes Set A vagy Illumina DNA Prep with Enrichment Dx with UD Indexes Set B. A könyvtár előkészítési és dúsítási reakciók a következő számát hajthatja végre 16 minta vagy 96 mintakészlet használatával.

Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet	Mintabevitel	Dúsítási reakciók	Dúsítási plexitás
16-mintás készlet	Alacsony minőség (FFPE)	16 reakció	1-plex
96-mintás készlet	Kiváló minőség (pl. teljes vér)	8 reakció	12-plex

illumina DNA Prep with Enrichment Dx with UD Indexes Set A/B

illumina Prep Dx Tagmentation Reagents 1, 15 °C és 30 °C között tárolandó

A következő reagensek szállítása szobahőmérsékleten történik. Azonnal tárolja a reagenseket a jelzett tárolási hőmérsékleten, ezzel biztosítva a megfelelő teljesítményt.

A reagens neve	Kémcső mennyisége		Kupak színe	Töltési térfogat	Hatóanyagok
	16 minta (# 20050020)	96 minta (# 20050025)			
Stop Tagment Buffer 2 (ST2)	1	4	Piros	350 µl	Mosószeroldat vízben.
Tagment Wash Buffer 2 (TWB2)	1	1	Zöld	41 ml	Mosószer és só tartalmazó pufferelt vizes oldat.
Cleanup Beads (CB)	1	NA*	Piros	10 ml	Szilárd fázisú paramágneses gyöngyök pufferelt vizes oldatban.

*Cleanup Beads 96 mintához a illumina Prep Dx Cleanup Beads 96 minták (# 20050030) tartalmazzák.

illumina Prep Dx Cleanup Beads (96 minta), 15–30 °C-on tárolandó

A 96 mintakészletnél a illumina Prep Dx Cleanup Beads (katalógusszám: 20050030) tartalmazza a Cleanup Beads-t. A következő reagens szállítása szobahőmérsékleten történik. Azonnal tárolja a reagenseket a jelzett tárolási hőmérsékleten, ezzel biztosítva a megfelelő teljesítményt. A 16 mintakészletnél, a illumina Prep Dx Tagmentation Reagents 1 (katalógusszám: 20050020) tartalmazza a Cleanup Beads-t.

A reagens neve	Darab	Kupak színe	Töltési térfogat	Hatóanyagok
Cleanup Beads (CB)	4	Piros	10 ml	Szilárd fázisú paramágneses gyöngyök pufferelt vizes oldatban.

illumina DNA Prep Dx Tagmentation Reagents 2, 2–8 °C-on tárolandó

A következő reagenseket hűtve szállítják. Azonnal tárolja a reagenseket a jelzett tárolási hőmérsékleten, ezzel biztosítva a megfelelő teljesítményt. A eBLTS törzsoldatot tartalmazó kémcsövet függőlegesen tárolja, hogy a gyöngyök mindig a pufferbe merüljenek.

A reagens neve	Kémcső mennyisége		Kupak színe	Töltési térfogat		Hatóanyagok
	16 minta (# 20050021)	96 minta (# 20050026)		16 minta	96 minta	
Enrichment BLT Small (eBLTS)	1	4	Sárga	200 µl	290 µl	Glicerint, EDTA-t, dithioitolt, sót és mosószert tartalmazó pufferelt vizes oldatban lévő transzpozommal összekapcsolt Streptavidin Magnetic Beads.
Resuspension Buffer (RSB)	1	4	Törlés	1,8 ml	1,8 ml	Pufferelt vizes oldat.

illumina Prep Dx Tagmentation Reagents 3, -25 °C és -15 °C között tárolandó

A következő reagenseket fagyasztva szállítják. Azonnal tárolja a reagenseket a jelzett tárolási hőmérsékleten, ezzel biztosítva a megfelelő teljesítményt.

A reagens neve	Kémcső mennyisége		Kupak színe	Töltési térfogat		Hatóanyagok
	16 minta (# 20050022)	96 minta (# 20050027)		16 minta	96 minta	
Tagmentation Buffer 1 (TB1)	1	4	Törlés	290 µl	290 µl	Magnéziumsókat és dimetil-formamidot tartalmazó pufferelt vizes oldat.
Enhanced PCR Mix (EPM)	2	4	Törlés	200 µl	610 µl	DNS-polimeráz és dNTP-k pufferelt vizes oldatban

illumina DNA Prep Dx Enrichment Reagents 1 (16 minta), 2–8 °C-on tárolandó

16 mintakészlet esetében a következő reagensek találhatóak a illumina DNA Prep Dx Enrichment Reagents 1-ben (katalógusszám: 20050023). 96 mintakészlet esetén a reagensek a illumina Prep Dx Enrichment Reagents 1 (katalógusszám: 20050028) részét képezik.

A következő reagenseket hűtve szállítják. Azonnal tárolja a reagenseket a jelzett tárolási hőmérsékleten, ezzel biztosítva a megfelelő teljesítményt.

A reagens neve	Kémcső mennyisége	Kupak színe	Töltési térfogat	Hatóanyagok
Streptavidin Magnetic Beads (SMB3)	4	Törlés	1,2 ml	Streptavidin Magnetic Beads formamidot, detergenst és sórt tartalmazó pufferelt vizes oldatban.
Resuspension Buffer (RSB)	1	Törlés	1,8 ml	Pufferelt vizes oldat.
Enrichment Hyb Buffer 2 (EHB2)	1	Törlés	200 µl	Mosószeret és sórt tartalmazó pufferelt vizes oldat.
Elute Target Buffer 2 (ET2)	1	Törlés	200 µl	Pufferelt vizes oldat.

illumina Prep Dx Enrichment Reagents 1 (96 minta), 2–8 °C-on tárolandó

96 mintakészlet esetében a következő reagenseket tartalmazza a illumina Prep Dx Enrichment Reagents 1 (katalógusszám: 20050028). 16 mintakészlet esetén a reagensek a illumina DNA Prep Dx Enrichment Reagents 1 (katalógusszám: 20050023) részét képezik.

A következő reagenseket hűtve szállítják. Azonnal tárolja a reagenseket a jelzett tárolási hőmérsékleten, ezzel biztosítva a megfelelő teljesítményt.

A reagens neve	Kémcső mennyisége	Kupak színe	Töltési térfogat	Hatóanyagok
Streptavidin Magnetic Beads (SMB3)	2	Törlés	1,2 ml	Streptavidin Magnetic Beads formamidot, detergenst és sórt tartalmazó pufferelt vizes oldatban.
Resuspension Buffer (RSB)	4	Törlés	1,8 ml	Pufferelt vizes oldat.
Enrichment Hyb Buffer 2 (EHB2)	1	Törlés	200 µl	Mosószeret és sórt tartalmazó pufferelt vizes oldat.
Elute Target Buffer 2 (ET2)	1	Törlés	200 µl	Pufferelt vizes oldat.

illumina DNA Prep Dx Enrichment Reagents 2, -25 °C és -15 °C között tárolandó

A következő reagenseket fagyasztva szállítják. Azonnal tárolja a reagenseket a jelzett tárolási hőmérsékleten, ezzel biztosítva a megfelelő teljesítményt.

illumina DNA Prep with Enrichment Dx csomagmelléklettel

A reagens neve	Kémcső mennyisége		Kupak színe	Töltési térfogat	Hatóanyagok
	16 minta (# 20050024)	96 minta (# 20050029)			
Enrichment Elution Buffer 1 (EE1)	1	1	Törlés	580 µl	Mosószeroldat vízben.
Enhanced Enrichment Wash Buffer (EEW)	4	4	Borostyánsárga	4,1 ml	Mosószeret és sókat tartalmazó puffertelt vizes oldat.
PCR Primer Cocktail (PPC)	1	1	Törlés	320 µl	PCR primerek (oligonukleotidok) keveréke.
2N NaOH (HP3)	1	1	Törlés	200 µl	2N nátrium-hidroxid (NaOH) oldat.
HYB Buffer 2 + IDT NXT Blockers (NHB2)	2	1	Kék	480 µl	Puffertelt vizes oldat Cot-1 DNS-sel, tömörítő anyaggal és formamiddal
Enhanced PCR Mix (EPM)	2	1	Törlés	200 µl	DNS-polimeráz és dNTP-k puffertelt vizes oldatban

illumina Unique Dual Index Dx Set A/B, -25 °C és -15 °C között tárolandó

A következő reagenseket fagyasztva szállítják. Azonnal tárolja a reagenseket a jelzett tárolási hőmérsékleten, ezzel biztosítva a megfelelő teljesítményt. Az index adapter szekvenciákat lásd a [Függelék: illumina UD indexek adapter szekvenciái](#) a 64. oldalon.

Komponens	Darab
illumina Unique Dual Index Dx Set A (96 index), # 20050038	1
illumina Unique Dual Index Dx Set B (96 index), # 20050039	1

Nem szállított reagensek

Szükséges, de nem szállított reagensek

- DNS extrakciós és tisztító reagensek
- DNS mennyiségi értékelési reagensek
- Etanol (200 proof molekuláris biológiai használatra szolgáló)
- Nukleázmentes víz
- 10 mM Tris-HCl, pH 8,5
- 1N NaOH oldat, molekuláris biológiai minősítésű
- A NextSeq 550Dx szekvenálórendszer használata esetén:
 - 200 mM Tris, pH 7,0 (1 M Tris-HCL-ből hígítható, pH 7,0)
 - NextSeq 550Dx High Output Reagent Kit v2.5 (300 ciklus), (cikkszám: 20028871)
- MiSeqDx szekvenálási rendszer használata esetén:
 - MiSeqDx Reagent Kit v3 (cikkszám: 20037124)
- NovaSeq 6000Dx szekvenálási rendszer használata esetén:
 - 400 mM Tris, pH 8,0 (1 M Tris-HCL-ből hígítható, pH 8,0)
 - NovaSeq 6000Dx S2 Reagent Kit (300 ciklus) (katalógusszám: 20046931)
 - NovaSeq 6000Dx S4 Reagent Kit (300 ciklus) (katalógusszám: 20046933)
 - NovaSeq 6000Dx S2 Buffer Cartridge (katalógusszám: 20062292)
 - NovaSeq 6000Dx S4 Buffer Cartridge (katalógusszám: 20062293)
 - NovaSeq 6000Dx Library Tube (katalógusszám: 20062290)
 - NovaSeq 6000Dx Library Tube, 24 db-os csomag (katalógusszám: 20062291)

Dúsítási szondapanel követelményei

A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet reagensek kompatibilisek mind a Illumina-tól, mind a harmadik féltől származó dúsító DNS oligonukleotid panelekkel. Ha harmadik féltől származó biotinilált DNS szondákat (rögzített vagy egyedi paneleket) használ, győződjön meg arról, hogy azok megfelelnek a szükséges specifikációknak.

Az Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet az alábbi, harmadik féltől származó panelspecifikációk alapján lett optimalizálva és validálva. Az összehasonlítható teljesítmény nem garantált, ha olyan külső paneleket használ, amelyek nem felelnek meg a specifikációknak.

- 80 bp vagy 120 bp szondahossz
- 500–675 000 szonda
- Egy- vagy kétszálú DNS
- Teljes szondabemenet ≥ 3 pmol a plexitások dúsitásához 1-plex és 12-plex között

Tárolás és kezelés

- A szobahőmérséklet a 15 °C és 30 °C közötti hőmérsékletet jelenti.
- A reagensek a megadott módon történő tárolás esetén a készlet címkéjén feltüntetett lejárati dátumig stabilak. A tárolási hőmérsékleteket lásd a [Szállított reagensek a 5. oldalon](#) című részben.
- A fagyasztott reagensek stabilak a feltüntetett lejárati idő előtt legfeljebb négy fagyasztási-felolvasztási ciklusig.
- Az Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet eljárás a következő biztonságos leállási pontokat tartalmazza:
 - A [Címkézett DNS amplifikálása a 29. oldalon](#) után az amplifikált könyvtárak -25 °C és -15 °C közötti hőmérsékleten tárolva akár 30 napig is stabilak.
 - A [Könyvtárak tisztítása a 31. oldalon](#) -25 °C és -15 °C között tárolva akár 30 napig is stabilak.
 - A [Pool előre dúsitott könyvtárak a 33. oldalon](#) után az összevont könyvtárak -25 °C és -15 °C közötti hőmérsékleten tárolva akár 30 napig is stabilak.
 - Az [Dúsitott könyvtár amplifikálása a 44. oldalon](#) után a dúsitott, felerősített könyvtárlemez akár 24 órán át is a hőciklus-szabályozón maradhat. Alternatív megoldásként a lemez 2–8 °C-on legfeljebb 48 órán át tárolható.
 - Az utolsó megtisztított, dúsitott könyvtárak -25 °C és -15 °C közötti hőmérsékleten tárolva akár 7 napig is stabilak.
- Ha a Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet valamelyik összetevőjének csomagolása vagy tartalma megsérült vagy más módon károsodott, forduljon az Illumina ügyfélszolgálatához.
- Stop Tagment Buffer 2 (ST2) látható csapadékokat vagy kristályokat képezhet. Ha csapadékot észlel, melegítse 37 °C-on 10 percre, majd vortexelje, amíg a csapadék feloldódik.
- A Hibridizációs oligók (HYB) és Enhanced Enrichment Wash Buffer (EEW) előmelegítését a mintatípusonként és a szondapanelenként alkalmazható hibridizációs hőmérséklet-tartási hőmérséklettel megegyező hőmérsékletre kell végezni. Az NHB2 és EEW kezelésével kapcsolatos további információkért lásd az [Az eljárással kapcsolatos megjegyzések a 16. oldalon](#) részt.
- A Enrichment Hyb Buffer 2 (EHB2) és a HYB Buffer+IDT NXT Blockers (NHB2) kristályok és zavarosság kialakulásához vezethet. Ha kristályok és zavarosság figyelhető meg, vortexelje vagy pipettázza fel és le, hogy összekeverje, amíg az oldat tiszta nem lesz. Pipettázás előtt melegítse elő az NHB2-t.
- A Cleanup Beads (CB) kezelésekor kövesse az alábbi bevált gyakorlatokat:
 - Soha ne fagyassza meg a gyöngyöket.

- Közvetlenül a használat előtt vortexelje a gyöngyöket, amíg újra nem szuszpendálódnak, és a színük homogén nem lesz.
- A Enrichment BLT Small (eBLTS) kezelésekor kövesse az alábbi bevált gyakorlatokat:
 - A eBLTS csövet függőlegesen tárolja, hogy a gyöngyök mindig a pufferbe merüljenek.
 - Keverje össze alaposan a eBLTS-t, amíg a gyöngyök újra nem szuszpendálódnak. A gyöngyök visszahelyezésének elkerülése érdekében a pipettázás előtti centrifugálás nem ajánlott.
 - Ha a gyöngyök egy 96 üreges lemez oldalára vagy tetejére tapadnak, centrifugálja 280 × g erővel 3 másodpercig, majd pipettázza újra a szuszpenziót.
- Az index adapterlemezek kezelésekor kövesse az alábbi bevált gyakorlatokat:
 - Ne tegyen mintákat az index adapterlemezre.
 - Az indexlemez minden ürege egyszer használatos.

Szükséges, de nem szállított eszközök és anyagok

Az illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet mellett a protokoll megkezdése előtt győződjön meg arról, hogy rendelkezik a szükséges felszereléssel és anyagokkal.

Berendezés

Ügyeljen rá, hogy mielőtt nekikezdene a protokollnak, rendelkezésre álljanak a szükséges fogyóeszközök.

A protokollt a felsorolt specifikációkkal rendelkező tételek segítségével optimalizáltuk és validáltuk. Az összehasonlítható teljesítmény nem garantált, ha a berendezést a specifikációktól eltérően használja.

Egyes elemek csak bizonyos munkafolyamatokhoz szükségesek. Ezeket a tételeket külön táblázatokban határozzák meg.

- Hőváltoztató inkubátor a következő jellemzőkkel:
 - Fűtött fedél
 - Minimális hőmérséklet-szabályozási tartomány: 10 °C és 98 °C között
 - Minimális hőmérséklet pontossága ±0,25 °C
 - Maximális reakciótérfogat: 100 µl
 - Kompatibilis a 96 üreges, teljes peremmel ellátott PCR-lemezekkel
- Mikrominta inkubátor a következő specifikációkkal:
 - Hőmérséklet-tartomány: környezeti, +5,0 °C és 99,0 °C között
 - Kompatibilis a 96 üreges MIDI lemezekkel
- Mikrominta inkubátorbetétek, amelyek kompatibilisek a 96 üreges MIDI lemezekkel
- Nagy sebességű mikrolemezes shaker 200–3000 rpm keverési sebességgel
- Mágneses állvány, 96 üreges PCR lemezekkel kompatibilis

- Mágneses állvány, 96 üreges MIDI lemezekkel kompatibilis
- A fluorométer kompatibilis a mennyiségi meghatározási módszerrel
- DNS-fragmentum analízátor
- Precíziós pipetták:
 - 10 µl-es egycsatornás és többcsatornás pipetta
 - 20 µl-es egycsatornás és többcsatornás pipetta
 - 200 µl-es egycsatornás és többcsatornás pipetta
 - 1000 µl-es egycsatornás pipetták
 - A precíziós pipetták használata biztosítja a reagensek és minták pontos adagolását. Egycsatornás vagy többcsatornás pipetták is használhatók, ha azokat rendszeresen kalibrálják, és a pontosságuk megadott térfogat 5%-án belül van.
- Mikrolemezes centrifuga
- Mikrocentrifuga
- Az alábbi Illumina szekvenálási rendszerek egyike:
 - MiSeqDx készülék, katalógusszám: DX-410-1001
 - NextSeq 550Dx készülék, katalógusszám: 20005715, opcionális Illumina DRAGEN Server a NextSeq 550Dx készülékhez, katalógusszám: 20086130
 - NovaSeq 6000Dx készülék, katalógusszám: 20068232
- [Opcionális] Vákuumkoncentrátor
- [FFPE] Valós idejű PCR detektálórendszer

Anyagok

A protokoll megkezdése előtt győződjön meg arról, hogy rendelkezik a szükséges anyagokkal.

Egyes elemek csak bizonyos munkafolyamatokhoz szükségesek. Ezeket a tételeket külön táblázatokban határozzák meg.

A protokollt a felsorolt elemek felhasználásával optimalizálták és validálták. Az összehasonlítható teljesítmény nem garantált alternatív anyagok használata esetén.

- Szűrt pipettahegyek
- Kúpos centrifugacsövek, 15 ml vagy 50 ml
- Mikrocentrifuga-csövek, 1,5 ml
- RNáz/DNáz-mentes többcsatornás reagenstartályok, eldobható
- RNáz/DNáz-mentes 8 csöves csíkok és kupakok
- Szerológiai pipetták
- 96 üreges polipropilén mély üreges tárolólemez, 0,8 ml (MIDI lemez)

- Keményhéjú 96-üregű, peremes PCR lemezek
- [FFPE] qPCR lemezekkel kompatibilis
- Ragasztó lemezek a 96 üregű lemezekhez a következő jellemzőkkel:
 - Hámozható, optikailag átlátszó poliészter
 - Peremes PCR lemezekhez alkalmas
 - Erős ragasztóanyag, amely ellenáll a -40 °C és 110 °C közötti hőmérséklet-változásoknak
 - DNáz/RNáz-mentes
- A választott kvantifikálási módszerrel kompatibilis műanyag fogyóeszközök
- A választott kvantifikáló rendszerrel kompatibilis fluorometrikus dsDNS kvantifikáló készlet:
 - Az előre dúsított amplifikált könyvtárak számszerűsítéséhez széles körű számszerűsítő készlet használható.
 - A dúsított könyvtárak számszerűsítéséhez a számszerűsítő készlet tartománya a használt szondapanelel függ.
- Töredékelemző készlet a könyvtár minősítéséhez a kiválasztott minősítési rendszerrel:
 - Az elődúsított könyvtárak minősítéséhez széles körű készlet használható.
 - A minősített dúsított könyvtárak esetében a minősítési készlet tartománya a használt szondapanelel függ.
- [Opcionális] Készlet az emberi sejtekből és szövetekből történő DNS-extrakcióhoz. Bármilyen hitelesített kivonási módszert használhat.

Mintavétel, -szállítás és -tárolás



FIGYELEM!

Minden mintát potenciálisan fertőző anyagként kell kezelni.

- Ez a vizsgálat kompatibilis az emberi sejtekből és szövetekből származó genomiális DNS-sel.
- A kereskedelmi forgalomban kapható tisztított gDNS esetében győződjön meg arról, hogy a mintákat a megfelelő körülmények között szállították és a gyártó utasításainak megfelelően tárolták. Kövesse a gDNS tárolási és kiolvasztási ciklusainak bevált gyakorlatait.
- A teljes vér beviteléhez kövesse a választott DNS-extrakciós módszerre vonatkozó vérvételi, -szállítási és -tárolási követelményeket. Bármilyen hitelesített kivonási módszer használható. A teljes vér szállítását a betegségek terjesztésére alkalmas anyagokra vonatkozó országos és helyi előírásoknak megfelelően kell végezni.
- A DNS FFPE-szövetből történő kinyeréséhez bármilyen validált kinyerési módszer alkalmazható. Kövesse a választott extrakciós módszerre vonatkozó utasításokat és ajánlásokat a következő gyakorlatok meghatározásához:

- Formalinfixálási és paraffinba ágyazási módszer szövetekhez a kivont DNS legjobb minőségének biztosítása érdekében.
- FFPE-minták tárolása.
- A kiindulási anyagokra vonatkozó követelmények, például az FFPE-metszetek száma és vastagsága. A legtöbb tisztítási módszer frissen vágott metszetek használatát javasolja.

Figyelmeztetések és óvintézkedések

- A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet reagensek potenciálisan veszélyes vegyszereket tartalmaznak. Belélegzésük, lenyelésük, bőrrel érintkezésük és szembe kerülésük esetén személyi sérülést okozhatnak. Viseljen védőfelszerelést, így védőszemüveget, kesztyűt és laborköpenyt a kockázat mértékének megfelelően. A használt reagenseket vegyi hulladékként kezelje, és a regionális, országos és helyi törvényeknek és előírásoknak megfelelően ártalmatlanítsa. A további környezetvédelmi és munkavédelmi információkért tekintse meg a biztonsági adatlapot (SDS) a support.illumina.com/sds.html weboldalon.
- A termékkel kapcsolatos súlyos eseményeket haladéktalanul jelentse az Illumina vállalatnak és a felhasználó és a páciens lakhelye szerinti tagállamok illetékes hatóságainak.
- Minden vérmintát úgy kell kezelni, mintha ismert fertőző lenne humán immundeficiencia vírus (HIV), hepatitis B vírus (HBV) vagy más vérrel terjedő kórokozók tekintetében (általános óvintézkedések).
- Használja a rutinszerű laboratóriumi óvintézkedéseket. Ne pipetázzon szájjal. Ne étkezzon, igyon vagy dohányozzon a munkaterületként megjelölt területeken. A minták és a készlet reagensei kezelésekor viseljen eldobható gumikesztyűt és laboratóriumi köpenyt. A minták és a készlet reagensei kezelése után alaposan mosson kezet.
- A minták vagy reagensek lebomlásának megelőzéséhez ügyeljen arra, hogy a protokoll megkezdése előtt az összes tisztításból származó nátrium-hipoklorit gőz teljesen eltávozzon.
- A minták más PCR termékekkel/amplikonokkal való szennyeződése pontatlan és megbízhatatlan eredményeket okozhat. A szennyeződés elkerülése érdekében kövesse az alábbi bevált gyakorlatokat:
 - Alkalmazzon megfelelő laboratóriumi gyakorlatokat és laboratóriumi higiénit.
 - Hajtsa végre a munkafolyamat lépéseit a kijelölt elő- és utóamplifikációs területeken.
 - Tárolja a használt reagenseket a könyvtárak tisztítása előtt egy előamplifikációs területen.
 - Válassza el az előamplifikációs reagenseket az utóamplifikációs reagensektől.
 - Ügyeljen arra, hogy az amplifikáció előtti és az azutáni területeken külön készülékek legyenek (például pipetták, pipettahegyek, vortexelő és centrifuga).
- Kerülje el a keresztszennyeződést. Az egyes minták között és az egyes reagensek között használjon új pipettahegyeket. Az szűrt pipettahegyek használata csökkenti az amplikonok átvitelét és az egyes minták közötti keresztszennyeződést.
 - Minták vagy reagens törzselemek hozzáadásakor vagy továbbításakor cserélje ki a hegyeket az egyes minták között.

- Ha indexadaptereket ad hozzá többcsatornás pipettával, cserélje ki a hegyeket az egyes sorok vagy oszlopok között. Egycsatornás pipetta használata esetén cserélje ki a hegyeket az egyes minták között.
- Távolítsa el a fel nem használt index adapterlemezeket a munkaterületről.
- Az etanolmosási lépésekhez kövesse az alábbi bevált gyakorlatokat:
 - Mindig frissen készítsen 80%-os etanololdatot. Az etanol vizet vehet fel a levegőből, ami befolyásolhatja az eredményeket.
 - Ügyeljen arra, hogy a mosási lépések során minden etanol eltávolításra kerüljön az üregek aljából. A megmaradt etanol befolyásolhatja az eredményeket.
 - A mágnesállványon elvégzett lépés után tartsa be a megadott száradási időt, hogy biztosítsa a teljes mértékű elpárolgást. A megmaradt etanol befolyásolhatja a későbbi reakciók teljesítményét.
- Használat előtt mindig készítse elő a törzselegyeket, és soha ne tárolja a kombinált munkaoldatokat.
- A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet teljesítménye nem garantált, ha az eljárásokat nem követik a terméktájékoztatóban leírtak szerint.
- Ne használja a reagenseket a készlet címkén feltüntetett lejárati idő után.
- Ne cserélje fel eltérő tételhez tartozó Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készletek összetevőit. A készletek a készlet címkéjén vannak feltüntetve.

Az eljárással kapcsolatos megjegyzések

DNS bemeneti ajánlások

A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet protokoll 50–1000 ng közötti, kiváló minőségű, kétszálú genomikai DNS (gDNS) bemenetekkel kompatibilis.

Győződjön meg arról, hogy a kezdeti gDNS-minta nem tartalmaz > 1 mM EDTA-t, és szerves szennyeződésektől, például fenoltól és etanoltól mentes. Ezek az anyagok zavarhatják a tagmentációs reakciót, és a vizsgálat sikertelenségét okozhatják.

gDNS bemenet \geq 50 ng

Az 50–1000 ng közötti gDNS-bemenetek esetében nincs szükség a kezdeti gDNS-minta számszerűsítésére és normalizálására.

gDNS bemenet < 50 ng

10–50 ng DNS bemenetek használhatók, a következő beállításokkal:

- Ha 10–49 ng gDNS bemenetet használ, a kezdeti gDNS minta számszerűsítése javasolt a tagmentáció után szükséges PCR ciklusok számának meghatározásához. Fluorometriás alapú módszerrel számszerűsítse a kétszálú gDNS-bemenetet. Kerülje a teljes nukleinsav mérésére szolgáló módszereket, például a NanoDrop-ot vagy más UV abszorbancia módszereket.

- Ez a protokoll nem normalizálja a végleges előre dúsított könyvtári kapacitásokat 10–49 ng gDNS-ből, ezért a könyvtárak mennyiségi meghatározása és normalizálása szükséges a dúsítás előtt és után.
- A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet-t 50–1000 ng közötti DNS-bemenetekre jellemezték és ellenőrizték. Az egyenértékű termék teljesítménye nem garantálható a < 50 ng gDNS bemenetek esetén.

Javaslatok a vérbevitelre vonatkozóan

Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet kompatibilis a perifériás teljes vérből kivont gDNS-sel. Bármilyen hitelesített kivonási módszer használható. A gDNS teljes vérből történő kivonásakor a bemeneti DNS kezdeti mennyiségi meghatározása nem szükséges, és a Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet normalizált előre dúsított könyvtári kapacitást hoz létre.

A következő tényezők hátrányosan befolyásolhatják a teljes vérmintákból nyert DNS mennyiségét, és így a könyvtár normalizálását:

- Vérminta életkora
- Tárolási feltételek
- A fehérvérsejtszámot befolyásoló alapbetegségek

FFPE szövetminta bevitelére vonatkozó ajánlások

A könyvtár sikeres előkészítéséhez a következő FFPE DNS-minőségi kritériumok alapján határozza meg a megfelelő bemenetet:

- FFPE-minták esetében, amelyek ΔCq értéke ≤ 5 , a javasolt DNS-bemenet 50–1000 ng.
- A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx nem ajánlott gyenge minőségű FFPE-mintákhoz, ahol a $\Delta Cq > 5$. A minták használata lehetséges, ha a $\Delta Cq > 5$ érték van megadva, de növelheti a könyvtár előkészítésének sikertelenségét vagy csökkentheti a vizsgálat teljesítményét.

FFPE-extrakció

Használjon olyan nukleinsav-izolációs módszert, amely magas visszanyerési hozamot eredményez, minimalizálja a mintafogyasztást és megőrzi a minta integritását. Bármilyen validált módszert alkalmazhat az FFPE-mintákból történő DNS-extrakcióhoz. Az FFPE-szövetből kivont gDNS esetében a bemeneti DNS kezdeti mennyiségi meghatározása szükséges, és a Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet nem termel normalizált előre dúsított könyvtári kapacitást.

FFPE DNS-minősítés

Az FFPE-szövetből kivont gDNS-t használat előtt minősíteni kell. Az optimális teljesítmény érdekében értékelje a DNS-minta minőségét validált extrakciós módszerrel az FFPE-mintákból kivont DNS minősítéséhez. A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet protokoll kompatibilis a ≤ 5 -ös ΔCq értékű FFPE DNS-mintákkal. Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet nem ajánlott rossz minőségű, $\Delta Cq > 5$ -ös FFPE mintákhoz. Ha a minták

$\Delta Cq > 5$ értékkel rendelkeznek, lehetséges, de növelhetik a könyvtár előkészítésének sikertelenségét vagy csökkenthetik a vizsgálat teljesítményét.

[Opcionális] FFPE referenciaminták

A protokoll végrehajtásakor használjon minősített referenciaanyagokat, például a Horizon HD799 (DNS)-t pozitív kontrollként. A sejtvonalból származó xenograftokból származó minősített FFPE-anyagok referenciamintákként is felhasználhatók. Használjon fluorometriás alapú módszert a referenciaanyagok mennyiségi meghatározására használat előtt.

MEGJEGYZÉS A pozitív kontroll referencia minta és a sablon nélküli kontroll (NTC) futtatása reagenseket fogyaszt és csökkenti a feldolgozható ismeretlen anyai minták számát.

Mintabeviteli ajánlások

A mintabemeneti ajánlásokat az illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet-hoz az alábbi táblázat foglalja össze.

1 táblázat Mintabeviteli ajánlások

Mintabevitel típusa	Mintabevitel összege	Bemeneti DNS mennyiségi meghatározása szükséges	Szükséges DNS-bemeneti minőség	Normalizált elődúsított könyvtár hozam
gDNS	10–49 ng	Igen	260/280 arány: 1,8–2,0	Nem
gDNS	50–1000 ng	Nem	260/280 arány: 1,8–2,0	Igen
gDNS a vérből	50–1000 ng	Nem	260/280 arány: 1,8–2,0	Igen
gDNS FFPE-ből	50–1000 ng	Igen	ΔCq érték ≤ 5	Nem

A eBLTS PCR program javasolt PCR ciklusait a minta bemeneti koncentrációja és minősége alapján állítják be. További információkért lásd: [Címkezett DNS amplifikálása a 29. oldalon](#).

Tippek és módszerek

A keresztszennyeződés elkerülése

- Minták hozzáadásakor vagy továbbításakor cserélje ki a hegyeket az *egyes minták között*.
- Ha indexadaptereket ad hozzá többcsatornás pipettával, cserélje ki a hegyeket az *egyes sorok* vagy *oszlopok között*. Egycsatornás pipetta használata esetén cserélje ki a hegyeket az egyes minták között.

A lemez lezárása

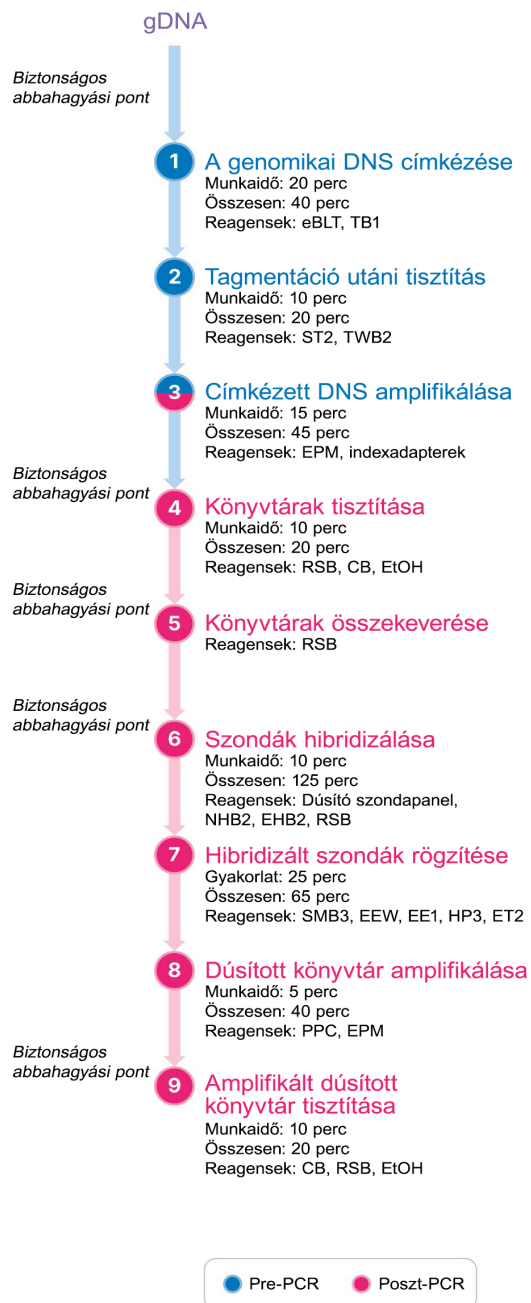
- A 96 üreges lemezt mindig gumihengerrel, új ragasztós tömítéssel zárja le, mielőtt a protokoll következő lépéseit végrehajtaná:
 - Rázási lépések
 - Inkubálási lépések. A lemez megfelelő lezárásának elmulasztása az inkubáció során elpárolgáshoz vezethet.
 - Centrifugálási lépések
 - Hibridizációs lépések
- A keresztszennyeződés és a párolgás kockázatának csökkentése érdekében győződjön meg arról, hogy a szélek és az üregek teljesen le vannak zárva.
 - Ha bármilyen folyadék vagy páralecsapódás figyelhető meg a lemezcellák tömítésén vagy oldalán, centrifugálja szükség szerint a lezárás feloldása előtt.
- Helyezze a lemezt vízszintes felületre, és lassan húzza le a zárófoliát.

Kezelés Enrichment BLT Small (eBLTS)

- A eBLTS törzsoldatot tartalmazó kémcsövet függőlegesen, hűtőszekrényben tárolja, hogy a gyöngyök mindig a pufferbe merüljenek.
- Közvetlenül a használat előtt alaposan vortexelje a eBLTS törzsoldatot tartalmazó csövet, amíg a gyöngyök újraszuszpendálódnak. A gyöngyök visszahelyezésének elkerülése érdekében a pipettázás előtti centrifugálás nem ajánlott.
- Ha a gyöngyök egy 96 üreges lemez oldalára vagy tetejére tapadnak, centrifugálja 280 × g erővel 3 másodpercig, majd pipettázza újra a szuszpenziót.
- eBLTS mosásakor:
 - A lemezhez megfelelő mágneses állványt használjon.
 - Tartsa a lemezt a mágneses állványon, amíg az eltávolításra vonatkozó utasítások meg nem határozzák.
 - Ha a gyöngyöket a pipettahegyekbe szívja fel, adagolja vissza a mágneses állványon lévő lemezbe, és várjon, amíg a folyadék tiszta nem lesz (2 perc).

illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet munkafolyamat

A illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet munkafolyamatot az alábbi ábra szemlélteti. A lépések között jelezve vannak a biztonságos megszakítási pontok. Az időbecslések 12 minta 12-plex dúsítással történő feldolgozásán alapulnak.



Használati útmutató

Ez a fejezet a Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet protokollt ismerteti.

- Tekintse át a tervezett teljes szekvenálási munkafolyamatot, a mintától az elemzésig, a termékek és a vizsgálati paraméterek kompatibilitásának biztosítása érdekében.
- Mielőtt folytatná, ellenőrizze a készlet tartalmát, és győződjön meg arról, hogy rendelkezik a szükséges komponensekkel, berendezésekkel és anyagokkal.
 - A harmadik féltől származó biotinilált szondáknak meg kell felelniük a konkrét követelményeknek. Olvassa el a [Dúsítási szondapanel követelményei a 10. oldalon](#), hogy megbizonyosodjon arról, hogy a harmadik féltől származó szondák megfelelnek a követelményeknek.
- Kövesse a protokollt a megadott sorrendben, a megadott térfogatok és inkubációs paraméterek alkalmazásával.
- A felsorolt műveleteket közvetlenül egymás után kell elvégezni; csak a protokollban megjelölt biztonságos megszakítási pontoknál lehet abbahagyni.
- A törzselegy létrehozásakor a megadott mennyiségek tartalmazzák a többletet.
- Ügyeljen arra, hogy a lemeztípusának megfelelő mágneses állványt használja.

Felkészülés a poolozásra

Erre a lépésre a dúsított könyvtárak sikeres szekvenálásának biztosításához van szükség. A könyvtárak összevonása a gazdagodás és a szekvenálás előtt is megtörténhet.

Dúsítás előtt – Az egyes indexált amplifikált könyvtárak össze vannak gyűjtve a kiválasztott szondapannellel való dúsítás érdekében. Ez egy multiplexelt, dúsított könyvtár csoportot hoz létre. Az FFPE-minta beviteléhez a feldolgozást tesztelték, és kizárólag 1-plex dúsítási reakciókhoz ajánlott. A kiváló minőségű gDNS-hez 12-plexet teszteltek, de 2-plextől 11-plexig lehetséges.

Szekvenálás előtt – 1-plex dúsított könyvtárak és/vagy multiplex dúsított könyvtárak összesítése a szekvenálás előtt. A sorba rendezhető dúsított könyvtárak száma a szekvenálási rendszer egyes mintáinak célmerési mélységétől függ.

Egyedi kettős indexelés

Az Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet egyedi kettős indexeket alkalmaz.

- A kettős indexelt könyvtárak 1 (i7) és 2 (i5) index szekvenciákat adnak hozzá az egyedien címkézett könyvtárak létrehozásához.
- Az UD indexek az i7 és i5 index leolvasáshoz különböző, független index szekvenciákkal rendelkeznek. Az indexek 10 bázis hosszúak.

A különböző szekvenciájú indexadapterek kiválasztása az összevont könyvtárakhoz optimalizálja a színegyensúlyt a sikeres szekvenáláshoz és adatelemzéshez. A ≥ 10 plexes plexitás pool-ok eredendően színiegyensúlyozottak, így bármilyen indexadapter-kombinációt használhat. A szekvenálási futtatás során a DNA GenerateFASTQ Dx Local Run Manager Modul opciókat kínál a színegyensúlyozott indexkombinációkhoz, és értesíti Önt, ha a kiválasztott indexkombinációkban nincs elegendő diverzitás.

Az Illumina UD index adapter szekvenciákkal és lemezelrendezésekkel kapcsolatos információkat lásd a [Függelék: Illumina UD indexek adapter szekvenciái a 64. oldalon](#)

Támogatott dúsítási plexiák

A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet reagensek konfigurálása és tesztelése 1-plex és 12-plex dúsítási plexitással történik. Bár más dúsító plexiák is lehetségesek, egyes plexiák további elődúsító könyvtár előkészítést és dúsító szonda panel reagenseket igényelnek.

A nem szabványos dúsítási plexitáshoz megfelelő dúsítási hozam elérése további optimalizálást igényelhet. Az optimális eredmények nem garantáltak.

- **Dúsító plexitás** – Az előre dúsított könyvtárak (1–12) száma, amelyek egyetlen dúsítási reakcióban egyesülnek a dúsító szondapanellel való hibridizációhoz. Ha például 12 előre dúsított könyvtárat egyesít össze, akkor egy 12-plex dúsító pool jön létre.
- **Dúsítási reakció** – Az egyedi dúsítási reakció-előkészítések száma, függetlenül a reakciónként összevont elődúsított könyvtárak számától. Például egy egyszeri dúsítási reakció elő tud készíteni egy 1-plex vagy 12-plex dúsítási csoportot.

A posztdúsított könyvtárak teljes számának kiszámításához szorozza meg a dúsító plexitást reakciónként a dúsító reakciók számával. Például egy 12-plex dúsító halmaz egyetlen dúsítási reakciója 12 utódúsított könyvtárat hoz létre.

Előredúsított könyvtárak egyesítésekor a Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet reagensek a következő dúsítási reakciókat és plexiséget támogatják.

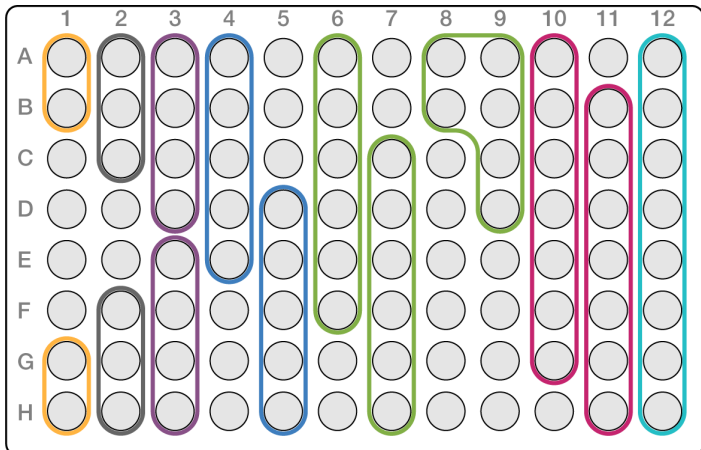
Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet Reagensek	Dúsítási reakciók	Dúsítási plexitás
16-mintás készlet	16 reakció	1-plex
96-mintás készlet	8 reakció	12-plex

Két-Plex nyolcon keresztül -Plex poolozási stratégiák

Az alábbi táblázat azokat az indexadaptereket (cellákat) mutatja, amelyek kombinálhatók egy 2–8-plex halmazban, míg a színekódolt ábra az egyes kombinációkat mutatja.

Az oszlop tetejétől vagy aljától ≥ 2 -es plexitást kell összevonni. Ne végezzen összevonást egy soron keresztül.

Plexitás	Kombinációk	Szín az ábrán
2	Az oszlop első két vagy utolsó két cellája: <ul style="list-style-type: none"> • A és B • G és H A C–F sorok nincsenek használatban.	Narancsszínű
3	Az oszlop első három vagy utolsó három cellája: <ul style="list-style-type: none"> • A–C • F–H A D és E sor nem használatos.	Szürke
4	Az oszlop első négy vagy utolsó négy cellája: <ul style="list-style-type: none"> • A–D • E–H 	Lila
5	Az oszlop első öt vagy utolsó öt cellája: <ul style="list-style-type: none"> • A–E • D–H 	Kék
6	[1. opció] Az oszlop első hat vagy utolsó hat cellája: <ul style="list-style-type: none"> • A–F • C–H [2. opció] Az első két üreg (A és B) vagy az utolsó két üreg (G és H) egy oszlopban és bármely négy üreg egy szomszédos oszlopban.	Zöld
7	Az oszlop első hét vagy utolsó hét cellája: <ul style="list-style-type: none"> • A–G • B–H 	Rózsaszín
8	A teljes oszlop.	Pávakék

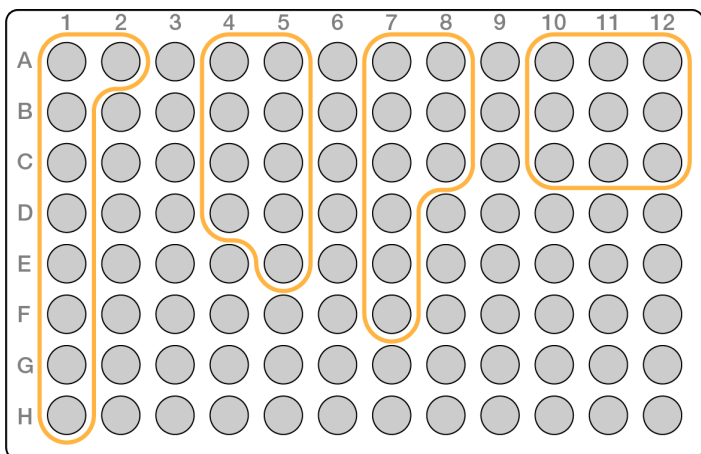


Kilenc plex poolozási stratégia

Használjon indexadaptereket bármely üregből, amelyek optimalizálják a színegyensúlyt egy szekvenálási futtatásban, például:

- A1–H1 és A2
- A4–D4 és A5–E5
- A7–F7 és A8–C8
- A10–C10, A11–C11 és A12–C12

A következő ábra mind a négy példát ábrázolja.



A genomikai DNS címkézése

Ez a lépés a Enrichment BLT Small (eBLTS) segítségével jelöli meg a DNS-t, amely egy olyan folyamat, amely a DNS-t adapter szekvenciákkal töri és címkézi.

Fogyóeszközök

- eBLTS (Enrichment BLT Small) (sárga kupak)
- TB1 (Tagmentation Buffer 1)
- Nukleázmentes víz
- 96 üregű PCR-lemez
- Ragasztós tömítés
- Mikrocentrifuga-csövek, 1,7 ml
- 8-csöves kémcsősor
- Pipettahegyek
 - 200 µl többcsatornás pipetta



FIGYELEM!

Ezek a reagensek potenciálisan veszélyes vegyszereket tartalmaznak. Belélegzésük, lenyelésük, bőrrel érintkezésük és szembe kerülésük esetén személyi sérülést okozhatnak. Viseljen védőfelszerelést, így védőszemüveget, kesztyűt és laborköpenyt a kockázat mértékének megfelelően. A használt reagenseket vegyi hulladékként kezelje, és a regionális, országos és helyi törvényeknek és előírásoknak megfelelően ártalmatlanítsa. A további környezetvédelmi és munkavédelmi információkért tekintse meg a biztonsági adatlapot (SDS) a support.illumina.com/sds.html weboldalon.

A reagensekről

- Az eBLTS 2 °C és 8 °C közötti hőmérsékleten tárolandó. Ne használjon olyan eBLTS-t, amit 2 °C alatti hőmérsékleten tároltak.
- Ne centrifugálja az eBLTS-t.

Előkészítés

1. Készítse elő a következő fogyóeszközöket:

Elem	Tárolás	Utasítások
eBLTS (sárga kupak)	2 °C és 8 °C között	Hozza szobahőmérsékletre. Használat előtt közvetlenül vortexelje a keveréket. Ne centrifugálja pipettázás előtt.
TB1	-25 °C és -15 °C között	Hozza szobahőmérsékletre. Vortexeléssel keverje össze.

2. Vortexelje vagy pipettázza a DNS-t, majd röviden centrifugálja.
3. Mentse a következő TAG programot a hőciklerre:
 - Válassza az előfűtött fedél lehetőséget, és állítsa be 100 °C-ra.

- Állítsa a mennyiséget 50 µl-re.
- 55 °C 5 percig
- Tárolás 10 °C-on

Eljárás

1. Adjon 2–30 µl DNS-t a 96 mintahelyes PCR-lemez minden üregéhez úgy, hogy a teljes bemeneti mennyiség 50–1000 ng legyen.
Ha a DNS-térfogat < 30 µl, adjon nukleázmentes vizet a DNS-mintákhoz, hogy a teljes térfogat 30 µl legyen.
2. Alaposan vortexelje eBLTS, amíg a gyöngyök teljesen újraszuszpendálódnak.
3. A címkézési törzselegy elkészítéséhez a következő térfogatokat keverje össze egy kémcsőben. Szorozza meg az egyes térfogatokat a feldolgozott minták számával.
 - eBLTS (11,5 µl)
 - TB1 (11,5 µl)A térfogat tartalmazza reagenstöbbletet.
4. Pipetázza alaposan a címkézési törzselegyet a keveréshez.
5. Ossa szét egyenlően a tagmentációs törzselegy térfogatát egy 8 csöves csíkra.
6. 200 µl-es többcsatornás pipettával vigyen át 20 µl tagmentációs törzselegyet a mintát tartalmazó PCR-lemez minden egyes üregébe. Használjon friss hegyeket minden egyes mintaoszlophoz vagy -sorhoz.
7. A címkézési törzselegy kiosztása után dobja ki a 8 csöves csíkot .
8. 200 µl-es többcsatornás pipettával, 40 µl-re állítva pipetázzon minden mintát 10-szer a keveréshez. Használjon friss hegyeket minden mintaoszlophoz.
Másik lehetőségként zárja le a PCR-lemezt, és használjon 1600 rpm fordulatszámon 1 percig tartó lemezrázót.
9. Zárja le a lemezt, majd helyezze azt az előre beprogramozott hőváltoztató inkubátorba, és futtassa a TAG programot.
10. Várjon, amíg a TAG program eléri a 10 °C-os tárolási hőmérsékletet, majd azonnal vegye ki a lemezt.
11. Hagyja a 96 üreges PCR-lemezt 2 percig szobahőmérsékleten állni, majd folytassa a következő lépéssel.

Címkézés utáni tisztítás

Ez a lépés az adapterrel megjelölt DNS-t mossa a eBLTS-ban a PCR amplifikációja előtt.

Fogyóeszközök

- ST2 (Stop Tagment Buffer 2)
- TWB2 (Tagment Wash Buffer 2)
- 96 üreges PCR lemez mágneses állvány
- Ragasztós tömítés

- 8-csöves kémcsősor
- Pipettahegyek
 - 20 µl többcsatornás pipetta
 - 200 µl többcsatornás pipetta
- Készüljön fel a későbbi eljárásra:
 - EPM (Enhanced PCR Mix)
 - Index adapter lemez

A reagensekről

- Ügyeljen arra, hogy a lemezéhez megfelelő mágneses állványt használjon. A MIDI lemez mágneses állványának PCR lemezhez való használata megakadályozhatja a gyöngyök TWB2 tapadását.
- A habzás minimalizálása érdekében pipettázzon TWB2 lassan, hogy elkerülje a helytelen térfogati aspirációt és a nem teljes keverést.

Előkészítés

1. Készítse elő a következő fogyóeszközöket:

Elem	Tárolás	Utasítások
EPM	-25 °C és -15 °C között	Olvassa fel jégen 1 órán át. Átfordítással keverje össze, majd rövid ideig centrifugálja.
ST2	15 °C és 30 °C között	Ha csapadékot észlel, melegítse 37 °C-on 10 percre, majd vortexelje, amíg a csapadék feloldódik. Használja szobahőmérsékleten.
TWB2	15 °C és 30 °C között	Használja szobahőmérsékleten.
Index adapter lemez	-25 °C és -15 °C között	Hagyja szobahőmérsékleten felolvadni 30 percre.

Eljárás

1. Adjon 10 µl ST2-t az egyes címkézési reakciókhoz. Ha többcsatornás pipettát használ, pipettázzon ST2-t egy 8 csöves kémcsősorba, majd vigye át a megfelelő térfogatokat a PCR lemezre. Használjon friss hegyeket minden egyes mintaoszlophoz vagy -sorhoz.
2. Egy 50 µl-re beállított 200 µl-es pipettával lassan pipettázzon minden üreget 10-szer a gyöngyök újraszuszpendálásához. Másik lehetőségként zárja le a lemezt, és rázza 1600 rpm fordulatszámon 1 percre. Szükség szerint ismétlje meg.
3. Zárja le a lemezt, és centrifugálja 280 x g-vel 10 másodpercig.

4. Inkubálja szobahőmérsékleten 5 percig.
5. Helyezze az PCR-lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (3 perc).
6. [\leq 48 minta] Mossa meg háromszor az alábbiak szerint.
 - a. 200 μ l-es többcsatornás pipettával, 60 μ l-re állítva, távolítsa el és dobja ki a felülúszót a gyöngypellet felkavarása nélkül.
 - b. Távolítsa el a mágneses állványról.
 - c. Közvetlenül ezután lassan adjon hozzá 100 μ l TWB2-t közvetlenül a gyöngyökhöz.
 - d. Lassan pipettázza, amíg a gyöngyök teljesen újrassuszpendálódnak. Másik lehetőségként zárja le a lemezt, és rázza 1600 rpm fordulatszámon 1 percig.
 - e. Fröccsenés esetén centrifugálja 280 \times g erővel 10 másodpercig.
 - f. Helyezze az PCR lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (3 perc). Hagyja a lemezt a mágneses állványon és az TWB2 üregekben, hogy megelőzze a kiszáradást a harmadik mosás során. A PCR törzselegy elkészítése után távolítsa el és dobja ki a felülúszót.
 - g. 200 μ l-es többcsatornás pipettával, 100 μ l-re állítva távolítsa el és dobja ki a felülúszót.
 - h. Ismételje meg kétszer a c–f lépéseket, összesen három mosással.
7. [$>$ 48 minta] Mossa meg háromszor az alábbiak szerint.
 - a. Hajtsa végre a b és c lépéseket 1–2 oszlopos lépésekben, amíg az összes oszlopot fel nem dolgozta a túlszárítás megelőzése érdekében.
 - b. Egy 200 μ l-es többcsatornás pipettával, 60 μ l-re állítva távolítsa el és dobja ki a felülúszót.
 - c. Távolítsa el a mágneses állványról.
 - d. Közvetlenül ezután lassan adagoljon 100 μ l TWB2-t közvetlenül a gyöngyökre.
 - e. Lassan pipettázza, amíg a gyöngyök teljesen újrassuszpendálódnak. Másik lehetőségként zárja le a lemezt, és rázza 1600 rpm fordulatszámon 1 percig.
 - f. Fröccsenés esetén centrifugálja 280 \times g erővel 10 másodpercig.
 - g. Helyezze az PCR lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (3 perc). Hagyja a lemezt a mágneses állványon és az TWB2 üregekben, hogy megelőzze a kiszáradást a harmadik mosás során. A PCR törzselegy elkészítése után távolítsa el és dobja ki a felülúszót.
 - h. 200 μ l-es többcsatornás pipettával, 100 μ l-re állítva távolítsa el és dobja ki a felülúszót.
 - i. Távolítsa el a mágneses állványról, és lassan adjon hozzá 100 μ l TWB2-t közvetlenül a gyöngyökhöz.
 - j. Ismételje meg a h és i lépéseket 1 vagy 2 oszlopos lépésekben, amíg az összes oszlopot fel nem dolgozta.
 - k. Ismételje meg az e–h lépéseket kétszer, összesen három mosással.
8. Tartsa a mágneses állványon az *Eljárás* rész 4. lépéséig az *Tagmentált DNS amplifikálása* részben. A TWB2 a kutakban marad, hogy megakadályozza a gyöngyök túlszáradását.

Címkézett DNS amplifikálása

Ez a lépés egy korlátozott ciklusú PCR program segítségével amplifikálja a címkézett DNS-t. A PCR lépés Index 1 (i7) adaptereket, Index 2 (i5) adaptereket és a szekvenálási cluster létrehozásához szükséges szekvenciákat ad hozzá.

Fogyóeszközök

- EPM (Enhanced PCR Mix)
- Index adapter lemez
- 96 üregű PCR-lemez
- Nukleázmentes víz
- Ragasztós tömítés
- Mikrocentrifuga-csövek, 1,5 ml
- Pipettahegyek
 - 20 µl többcsatornás pipetta
 - 200 µl többcsatornás pipetta

A reagensekről

- Index adapter lemezek
 - Egy üreg > 10 µl indexadaptert tartalmazhat.
 - Ne tegyen mintákat az index adapterlemezre.
 - Az indexlemez minden ürege egyszer használatos.

Előkészítés

1. Készítse elő a következő fogyóeszközöket:

Elem	Tárolás	Utasítások
EPM	-25 °C és -15 °C között	Olvassza fel 4 °C-on vagy jégen 1 órán át. Átfordítással keverje össze, majd rövid ideig centrifugálja.
Index adapter lemez	-25 °C és -15 °C között	Hagyja szobahőmérsékleten felolvadni 30 percig.

2. Az alábbi táblázatban megadott számú PCR-ciklust használva mentse el a következő eBLTS PCR-programot a hőciklerre.

- Válassza az előfűtött fedél lehetőséget, és állítsa be 100 °C-ra.
- Állítsa a mennyiséget 50 µl-re.
- 72 °C 3 percig
- 98 °C 3 percig
- X ciklus:
 - 98 °C 20 másodpercig
 - 60 °C 30 másodpercig
 - 72 °C 1 percig
- 72 °C 3 percig
- Tárolás 10 °C-on

A teljes üzemidő ~38 perc 9 cikluson át és ~46 perc 12 cikluson át.

Mintabevitel típusa	PCR ciklusok száma (X)
10–49 ng gDNS	12
50–1000 ng gDNS	9
FFPE-ből kivont 50–1000 ng gDNS	12
Vérből kivont gDNS	9

Eljárás

1. A PCR törzselegyet elkészítéséhez a következőket kell összeadni. Szorozza meg az egyes térfogatokat a feldolgozott minták számával.
 - EPM (23 µl)
 - Nukleázmentes víz (23 µl)

A térfogat tartalmazza reagenstöbbletet.
2. Pipetázza a PCR törzselegyet 10-szer a keveréshez, majd röviden centrifugálja.
3. A lemezt a mágneses állványon tartva 200 µl-es többcsatornás pipettával távolítsa el és dobja ki TWB2. Az aknafalakon maradó hab nem befolyásolja hátrányosan a könyvtárat.
4. Távolítsa el a mágneses állványról.
5. Azonnal adjon hozzá 40 µl PCR törzselegyet közvetlenül a gyöngyökhöz minden üregben.
6. Azonnal pipetázza, hogy összekeverje, amíg a gyöngyök teljesen újraszuszpendálódnak. Másik lehetőségként zárja le a lemezt, és rázza 1600 rpm fordulatszámon 1 percig.

7. Zárja le a mintalemezt, és centrifugálja 280 × g erővel 10 másodpercig.
8. Centrifugálja az indexadapter lemezt 1000 × g erővel 1 percig.
9. Készítse elő az index adapterlemezt.
 - [< 96 minta] Szűrja át a fóliatömítést az index adapterlemezen egy új pipettaheggyel mindegyik üreghez, csak a feldolgozott minták számára.
 - [96 minta] Igazítsa az új félszörkös PCR-lemezt az index adapterlemez fölé, és nyomja le a fóliatömítés átszűréséhez. Dobja ki a fóliatömítés átszűréséhez használt PCR-lemezt.
10. Egy új pipettahegy segítségével adjon 10 μ l előre párosított indexadaptert minden üreghez.
11. 40 μ l-re beállított pipettával pipettázzon 10-szer a összekeveréshez. Másik lehetőségként zárja le a lemezt, és rázza 1600 rpm fordulatszámon 1 percig.
12. Zárja le a lemezt, és centrifugálja 280 x g-vel 10 másodpercig.
13. Helyezze a hőciklerre, és futtassa a eBLTS PCR programot.

BIZTONSÁGOS MEGSZAKÍTÁSI PONT

Ha félbehagyja a műveletet, $-25\text{ }^{\circ}\text{C}$ és $-15\text{ }^{\circ}\text{C}$ közötti hőmérsékleten tárolja legfeljebb 30 napig.

Könyvtárak tisztítása

Ez a lépés kétoldalas gyöngytisztítási eljárást alkalmaz az amplifikált könyvtárak tisztításához.

Fogyóeszközök

- CB (Cleanup Beads)
- RSB (Resuspension Buffer)
- Frissen elkészített 80%-os etanol (EtOH)
- 96 üreges, 0,8 ml-es polipropilén Deepwell tárolólemez (MIDI lemez)
- 96 üregű PCR-lemez
- MIDI lemez mágneses állvány
- PCR lemez mágneses állvány
- Mikrocentrifuga-csövek, 1,5 ml
- Nukleázmentes víz

A reagensekről

- Cleanup Beads
 - Vortexelje minden használat előtt.
 - Gyakran vortexelje a gyöngyök egyenletes eloszlásának biztosítása érdekében.
 - Az oldat viszkozitása miatt lassan aspiráljon és adagoljon.

Előkészítés

1. Készítse elő a következő fogyóeszközöket:

Elem	Tárolás	Utasítások
CB	Szobahőmérséklet	Vortexelje és keverje fel, amíg a folyadék színe homogén nem lesz.
RSB	2 °C és 8 °C között	Hagyja szobahőmérsékleten felolvadni 30 percig. Vortexeléssel keverje össze.

Eljárás

1. Rázza a 96 üreges PCR-lemezt 1800 rpm fordulatszámon 1 percig, majd röviden centrifugálja.
2. Helyezze az PCR lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (1 perc).
3. Vortexelje CB 3-szor 10 másodpercig, majd fordítsa át többször az újraszuszpendáláshoz.
4. Kiváló minőségű gDNS esetén tegye a következőket.
 - a. Adjon 77 µl nukleázmentes vizet az új MIDI lemez minden üregéhez.
 - b. Adjon 88 µl-CBt a MIDI lemez minden üregéhez.
 - c. Vigyen át 45 µl felülúszót a PCR lemez mindegyik üregéből a MIDI lemez megfelelő üregébe.
 - d. Ártalmatlanítsa az PCR lemezt.
 - e. Pipetázzon minden üreget 10-szer a keveréshez. Másik lehetőségként zárja le a lemezt, és rázza 1800 rpm fordulatszámon 1 percig.
 - f. Zárja le a lemezt és inkubálja szobahőmérsékleten 5 percig.
 - g. Ellenőrizze, hogy nincsenek-e légbuborékok. Ha ilyet észlel, centrifugálja le.
 - h. Helyezze a MIDI lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (5 perc).
 - i. Az inkubálás során alaposan vortexelje a CB-t, majd adjon 20 µl-t az új MIDI lemez minden üregéhez.
 - j. Vigyen át 200 µl felülúszót az első MDI lemez mindegyik üregéből az új MIDI lemez megfelelő üregébe (amely 20 µl CB-t tartalmaz).
 - k. Dobja ki az első MIDI lemezt.
 - l. Pipetázza az új MIDI lemez minden üregébe 10-szer a keveréshez. Másik lehetőségként zárja le a lemezt, és rázza 1800 rpm fordulatszámon 1 percig.
5. A kivont FFPE esetében a következőképpen járjon el.
 - a. Adjon 81 µl CB-t az új MIDI lemez minden üregébe.
 - b. Vigyen át 45 µl felülúszót a PCR lemez mindegyik üregéből a MIDI lemez megfelelő üregébe.
 - c. Ártalmatlanítsa az PCR lemezt.
 - d. Pipetázzon minden üreget 10-szer a keveréshez. Másik lehetőségként zárja le a lemezt, és rázza 1800 rpm fordulatszámon 1 percig.
6. Inkubálja szobahőmérsékleten 5 percig.
7. Ellenőrizze, hogy nincsenek-e légbuborékok. Ha ilyet észlel, centrifugálja le.

8. Helyezze a MIDI lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (5 perc).
9. A gyöngyök felkavarása nélkül távolítsa el és dobja ki a felülúszót.
10. Végezze el a gyöngyök mosását a következő módon:
 - a. A lemezt a mágneses állványon tartva adjon hozzá 200 µl friss 80%-os EtOH-t keverés nélkül.
 - b. Inkubálja 30 másodpercig.
 - c. A gyöngyök felkavarása nélkül távolítsa el és dobja ki a felülúszót.
11. Mossa meg a gyöngyöket **még egyszer**.
12. Szárítsa levegőn a mágneses állványt 5 percig.
13. Levegőn történő szárítás közben 20 µl-es pipettával távolítsa el és dobja ki a maradék EtOH-t.
14. Távolítsa el a mágneses állványról.
15. Adjon 17 µl RSB-t a gyöngyökhöz.
16. Zárja le a lemezt, és rázza 1800 rpm fordulatszámon 2 percig.
17. Inkubálja szobahőmérsékleten 2 percig.
18. Ellenőrizze, hogy nincsenek-e légbuborékok. Ha ilyet észlel, centrifugálja le.
19. Helyezze az MIDI lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (2 perc).
20. Vigyen át 15 µl felülúszót egy új 96 üreges PCR lemezre.

BIZTONSÁGOS MEGSZAKÍTÁSI PONT

Ha félbehagyja a műveletet, zárja le a lemezt, majd -25 °C és -15 °C közötti hőmérsékleten tárolja legfeljebb 30 napig.

Pool előre dúsított könyvtárak

Ez a lépés a DNS-könyvtárakat egyedi indexekkel kombinálja egy legfeljebb 12 könyvtárból álló készletben.

Összevonási módszerek

Térfogat vagy tömeg alapján is összevonható. Az alábbi táblázat segítségével határozza meg a megfelelő módszert a bevitelhez.

2 táblázat Ajánlott poolozási módszerek

Mintabevitel	Poolozási módszer
10–49 ng gDNS	Tömeg
50–1000 ng gDNS	Térfogat
FFPE-ből kivont gDNS	Tömeg
Vérből kivont gDNS	Térfogat

- Az egyoldalas dúsítás nem igényel előre dúsított könyvtárak összevonását. Azonban szükség lehet RSB hozzáadására.
- Az előre dúsított könyvtár mennyiségi meghatározása után az összes mintabemeneti típus tömegenként összevonható az optimális indexegyensúly elérése érdekében.
- A külön kísérleti készítményekben előállított elődúsított könyvtárak végső kapacitása eltérő lehet. Ezért javasolt tömegenkénti összevonás az optimális indexegyensúly elérése érdekében.
- Használjon 1-plex dúsítást a következő helyzetekben.
 - 10–49 ng gDNS
 - FFPE-ből kivont 50–1000 ng gDNS
 - Alacsony kisebb allélgyakoriság-észlelés szomatikus variáns híváshoz.

Csoport tömeg szerint

A következő helyzetekben számszerűsítse könyvtárait, hogy könyvtáranként egy DNS-tömeget használjanak a dúsításhoz, amelyet a [Pool előre dúsított könyvtárak egyenlő koncentrációban a 35. oldalon](#).

- 10–49 ng gDNS minta bemenet
- FFPE-mintabemenetből kivont 50–1000 ng gDNS
- Alacsony kisebb allélgyakoriság-észlelés szomatikus variáns híváshoz
- Vérből kivont gDNS az optimális indexegyensúly érdekében

Előre dúsított könyvtárak számszerűsítése

1. Futtasson 1 µl elődúsított könyvtárat a kívánt fluoreszcenciaalapú mennyiségi meghatározási módszerrel, amely dsDNS interkalációs festéket használ.
 - 50–1000 ng magas minőségű gDNS esetén ≥ 500 ng előre dúsított könyvtárkapacitásra számíthat.
 - Az FFPE-ből kivont 50–1000 ng gDNS esetében a kezdeti minta minőségétől függően 500–6000 ng előre dúsított könyvtárkapacitásra számíthat.

MEGJEGYZÉS A különböző torzítású mennyiségi meghatározási módszerek esetében minősítse a munkafolyamat mennyiségi meghatározási módszerét. A koncentrációs eredmények az alkalmazott módszertől függően eltérhetnek.

Pool előre dúsított könyvtárak egyenlő koncentrációban

Az alábbi táblázat segítségével határozza meg a dúsításhoz szükséges DNS-tömeget könyvtáranként, a minta típusa és dúsítási plexitása szerint. Az optimális dúsítási kapacitás és a vizsgálat teljesítménye nem garantált, ha az ajánlottnál alacsonyabb előre dúsított könyvtári kapacitást használ.

A dúsítási reakcióban a teljes DNS-tömeg nem haladhatja meg a 6000 ng-t.

Mintabevitel	Dúsítási plexitás	DNS tömege könyvtáranként (ng)	Teljes DNS könyvtár tömege (ng)
Kiváló minőségű gDNS	12	250–500	3000–6000
FFPE-ből kivont gDNS	1	200	200

1. Jegyezze fel az ebben a lépésben összevonni kívánt könyvtárak indexeit.
2. Az egyes könyvtárak koncentrációja alapján számítsa ki azt a térfogatot, amelyet hozzá kell adni a dúsítási reakcióhoz a szükséges DNS-tömeg eléréséhez.
 - Kiváló minőségű gDNS: Számítsa ki a 250–500 ng bemenethez szükséges könyvtártérfogatot.
 - FFPE-ből kivont gDNS: Számítsa ki a 200 ng bemenethez szükséges könyvtártérfogatot.
3. Adja hozzá az egyes könyvtárak kiszámított térfogatát a PCR lemez ugyanazon üregébe.
4. Ha kiváló minőségű gDNS-t használ, végezze el az alábbiak egyikét az összevont elődúsított könyvtárak teljes térfogata alapján:
 - Ha az elődúsított könyvtár térfogata = 30 µl, folytassa a [Szondák hibridizálása a 37. oldalon](#).
 - Ha az előre dúsított könyvtár térfogata < 30 µl, adjon hozzá RSB-t a 30 µl össztérfogat eléréséhez.
 - Ha az előre dúsított könyvtár térfogata > 30 µl, használjon gyöngyalapú módszert vagy vákuumkoncentrátort az összevont minta koncentrálásához. Adjon RSB-t a koncentrált összevont mintához, hogy elérje a 30 µl össztérfogatot.

5. Ha FFPE-ből kivont gDNS-t használ, végezze el az alábbiak egyikét az összevont elődúsított könyvtárak teljes térfogata alapján.
- Ha az előre dúsított könyvtár térfogata = 7,5 µl, folytassa a [Szondák hibridizálása a 37. oldalon](#).
 - Ha az előre dúsított könyvtár térfogata < 7,5 µl, adjon hozzá RSB-t a 7,5 µl össztérfogat eléréséhez.

BIZTONSÁGOS ABBAHAGYÁSI PONT

Ha félbehagyja a műveletet, zárja le a lemezt, majd -25 °C és -15 °C közötti hőmérsékleten tárolja legfeljebb 30 napig.

Csoport térfogat szerint

Ha a bemenet 50–1000 ng gDNS, akkor az ugyanabban a kísérletben létrehozott egyéni könyvtárak számszerűsítése és normalizálása nem szükséges.

Az optimális teljesítmény elérése érdekében csak ugyanazon felhasználó, reagenstétel és indexadapter-lemez által előkészített előre dúsított könyvtármintákat szabad összeállítani.

1. Jegyezze fel az ebben a lépésben összevonni kívánt könyvtárak indexeit.
2. A dúsító plexitáshoz a következő előre dúsított könyvtárat és RSB térfogatokat kombinálja az új PCR lemez ugyanazon cellájába.
A kapott térfogat 30 µl.

Dúsítási plexitás*	Minden egyes elődúsított könyvtár térfogata (µl)	RSB térfogat (µl)
1-plex	14	16
2-plex	14	2
3-plex	10	0
4-plex	7,5	0
5-plex	6	0
6-plex	5	0
7-plex	4,2	0,6
8-plex	3,7	0,4
9-plex	3,3	0,3
10-plex	3	0
11-plex	2,7	0,3
12-plex	2,5	0

*A nem szabványos plexiákkal (2-plex – 11-plex) kapcsolatos információkért lásd [Az eljárás korlátai a 2. oldalon](#).

BIZTONSÁGOS ABBAHAGYÁSI PONT

Ha félbehagyja a műveletet, zárja le a lemezt, majd -25 °C és -15 °C közötti hőmérsékleten tárolja legfeljebb 30 napig.

[Opcionális] Elődúsított könyvtárak minősítése

Térfogat szerinti összevonás esetén az előre dúsított könyvtárak mennyiségi meghatározásához használjon dsDNS interkalációs festéket alkalmazó fluorometriás alapú módszert. Az elődúsított könyvtárak minősítéséhez használjon DNS fragmentumelemzőt a megfelelő fragmentumelemző készlettel.

A könyvtár minősítéséhez összesen 1 µl-t használjon. Az elődúsított könyvtárak elég koncentráltak ahhoz, hogy kis hígításokat lehessen használni a mennyiségi meghatározáshoz vagy a fragmentumok elemzéséhez.

Szondák hibridizálása

Ez a lépés a DNS célterületeit köti össze a befogó próbákkal.

A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet reagensek kompatibilisek mind a Illumina-tól, mind a harmadik féltől származó dúsító DNS oligonukleotid panelekkel. A harmadik féltől származó panelek szükséges specifikációival kapcsolatban lásd: [Dúsítási szondapanel követelményei a 10. oldalon](#).

Fogyóeszközök

- EHB2 (Enrichment Hyb Buffer 2)
- NHB2 (HYB Buffer 2 + IDT NXT Blockers) (kék kupak)
- Dúsító szonda panel
- 96 üregű PCR-lemez
- Ragasztós tömítés
- Készüljön fel a későbbi eljárásra:
 - SMB3 (Streptavidin Magnetic Beads)
 - EEW (Enhanced Enrichment Wash Buffer) (borostyánszínű kupak)

A reagensekről

- Az NHB2 kicsapódik és elválik a tárolás során.
- A dúsítószonda panel a Illumina gyártó által kiválasztott dúsító oligonukleotid panelre utal.

Előkészítés

1. Készítse elő a következő fogyóeszközöket:

Elem	Tárolás	Utasítások
EHB2	2 °C és 8 °C között	Hozza szobahőmérsékletre. Vortexeléssel keverje össze. Ha kristályok és zavarosság figyelhető meg, ismételje meg a vortexelést vagy pipettázzon fel és le, hogy összekeverje, amíg az oldat tiszta nem lesz.
Dúsító szonda panel	-25 °C és -15 °C között (Illumina)	Mind az Illumina, mind a harmadik féltől származó panelek esetében állítsa szobahőmérsékletre. Vortexeléssel keverje össze.
NHB2 (kék kupak)	-25 °C és -15 °C között	Olvassa fel szobahőmérsékleten. Szobahőmérsékleten melegítse elő egy mikrominta inkubátort 5 percig a használt szondával megegyező hőmérsékletre. Az újraszuszpendáláshoz vortexelje maximális sebességgel 3-szor 10 másodpercig. Röviden centrifugálja. Pipettázza fel és le a cső aljáról. Ha kristályok és zavarosság figyelhető meg, ismételje meg a vortexelést vagy pipettázzon fel és le, hogy összekeverje, amíg az oldat tiszta nem lesz. Melegen használja, hogy elkerülje a kicsapódást a reformációból.
SMB3*	2 °C és 8 °C között	Ha közvetlenül a HYB program 90 perces szüneteltetése után folytatja a következő eljárást, akkor a HYB program elindítása előtt legalább 2 órával melegítse szobahőmérsékletre.
EEW* (borostyánszínű kémcső)	-25 °C és -15 °C között	Ha közvetlenül a HYB program 90 perces szüneteltetése után folytatja a következő eljárást, akkor a HYB program elindítása előtt legalább 2 órával melegítse szobahőmérsékletre. Szobahőmérsékleten melegítse elő egy mikrominta inkubátoron a megfelelő hibridizációs hőmérsékletre, és rögzítse a hőmérsékletet 30 percig a HYB program vége előtt.

illumina DNA Prep with Enrichment Dx csomagmelléklettel illumina®

*Ha a következő eljárás előtt áll meg, akkor a reagens előkészítését addig kell késleltetni, amíg el nem éri az adott eljárást.

- Mentse el a következő HYB programot a hőciklaren a megfelelő számú ciklus használatával, amelyek az [3 táblázat](#) vannak felsorolva.
 - Válassza az előfűtött fedél lehetőséget, és állítsa be 100 °C-ra.
 - Állítsa be a reakciós mennyiséget.
 - [Kiváló minőségű gDNS] 100 µl
 - [FFPE-ből kivont gDNS] 25 µl
 - 98 °C 5 percig
 - X ciklus egyenként 1 percig, az első ciklusnál 98 °C-on kezdve, majd ciklusonként 2 °C-kal csökkentve
 - Tartsa 90 percig a megfelelő hőmérsékleten:
 - [FFPE-ből kivont gDNS] 58 °C
 - [80 mer szonda panelek] 58 °C
 - [Szomatikus változat hívása] 58 °C
 - [Minden más] 62 °C

A teljes üzemidő ~115 perc.

3 táblázat Ciklusszám mintánként vagy panelenként

Minta és panel típusa	Ciklusok száma (X)
FFPE-ből kivont gDNS (panel típusától függetlenül)	20
80 mer-szondapanelek (mintatípustól függetlenül)	20
Szomatikus változat hívása	20
Az összes többi minta és panel	18

Eljárás

- [Kiváló minőségű gDNS] Adja hozzá a következő reagenseket a *PCR-lemez egyes összevont könyvtáraihoz felsorolt sorrendben*.
Ne hozzon létre törzselegyet. Az NHB2 és EHB2 törzselegyenek létrehozása negatívan befolyásolja a dúsítási teljesítményt.
 - NHB2 (kék kupak) (50 µl)
 - Dúsító szonda panel (10 µl)
 - EHB2 (10 µl)
- [Kiváló minőségű gDNS] Egy 90 µl-re beállított pipettával pipettázzon minden mintahelyet 10-szer az összekeveréshez.
- [FFPE-ből kivont gDNS] Adja hozzá a következő reagenseket a *PCR-lemez egyes összevont könyvtáraihoz felsorolt sorrendben*.

Ne hozzon létre törzselegyet. Az NHB2 és EHB2 törzselegyének létrehozása negatívan befolyásolja a dúsítási teljesítményt.

- NHB2 (kék kupak) (12,5 µl)
 - Dúsító szonda panel (2,5 µl)
 - EHB2 (2,5 µl)
4. [FFPE-ből kivont gDNS] Egy 20 µl-re beállított pipettával pipetázzon minden üreget 10-szer a keveréshez.
 5. Zárja le a lemezt, és centrifugálja 280 × g sebességgel 10 másodpercig.
 6. Helyezze a minta lemezt az előre beprogramozott hőváltoztató inkubátorba, és futtassa a HYB programot.
 7. Ha a HYB program tárolási hőmérsékleti ideje lejár, azonnal lépjen tovább a következő eljárásra.



FIGYELEM!

Kicsapódás akkor fordul elő, ha a hibridizációs reakció hőmérséklete szobahőmérséklet alá esik.

Hibridizált szondák rögzítése

Ez a lépés a Streptavidin Magnetic Beads (SMB3) segítségével rögzíti a célterületekre hibridizált szondákat.

Fogyóeszközök

- EEW (Enhanced Enrichment Wash Buffer) (borostyánszínű kupak)
- EE1 (Enrichment Elution Buffer 1)
- ET2 (Elute Target Buffer 2)
- HP3 (2N NaOH)
- SMB3 (Streptavidin Magnetic Beads)
- 1,5 ml-es mikrocentrifuga-cső
- 96 üregű MIDI lemez
- 96 üregű PCR-lemez
- Ragasztós tömítés
- MIDI lemez mágneses állvány
- Készüljön fel a későbbi eljárásra:
 - Enhanced PCR Mix (EPM)
 - PCR Primer Cocktail (PPC)

A reagensekről

- EEW
 - Mielőtt mikrominta-inkubátorra melegítené, ellenőrizze, hogy EEW szobahőmérsékleten legalább 2 órán át kiolvadt-e.

- A HYB program befejezése előtt győződjön meg arról, hogy EEW 30 percig melegítette mikrominta-inkubátorban.
- Használaton kívül hagyja a EEW-t a mikrominta inkubátorban. A EEW-t a protokoll teljes időtartama alatt melegen kell tartani.
- A szobahőmérséklet elérése után zavaros lehet.
- Sárga lehet.
- SMB3
 - A SMB3-nek felhasználás előtt szobahőmérsékleten kell lennie.

Előkészítés

1. Készítse elő a következő fogyóeszközöket.

Elem	Tárolás	Utasítások
SMB3	2 °C és 8 °C között	Hagyja állni 2 óráig, hogy szobahőmérsékletre melegedjen. Fordítsa meg, majd vortexelje, amíg teljesen újra nem szuszpendálódik.
EEW (borostyánszínű kémcső)	-25 °C és -15 °C között	2 órás szobahőmérsékletű inkubáció után melegítse elő egy mikrominta inkubátoron a megfelelő hibridizációra, és rögzítse a hőmérsékletet 30 percig a HYB program vége előtt.
EE1	-25 °C és -15 °C között	Olvassza fel szobahőmérsékleten, majd vortexelje.
HP3	-25 °C és -15 °C között	Olvassza fel szobahőmérsékleten, majd vortexelje.
ET2	2 °C és 8 °C között	Hozza szobahőmérsékletre. Vortexeléssel keverje össze.
EPM	-25 °C és -15 °C között	Olvassza fel jégen egy órára. Átfordítással keverje össze, majd rövid ideig centrifugálja. Tegye félre jégre.
PPC	-25 °C és -15 °C között	Olvassza fel jégen egy órára. Vortexeléssel keverje össze, majd rövid ideig centrifugálja. Tegye félre jégre.

2. Melegítsen elő egy mikrominta inkubátort MIDI hőblokk betéttel, hogy a mintalemezt az alábbi hőmérsékletek egyikére inkubálja. Az EEW előmelegítéséhez opcionális második mikrominta inkubátor használható. Helyezze az EEW-t a MIDI hőblokk betét tetejére.
 - [FFPE] 58 °C
 - [80 mer per szonda panelek] 58 °C
 - [Szomatikus változat hívása] 58 °C
 - [Minden más] 62 °C

Eljárás

Rögzítés

- Adja SMB3 hozzá egy új MIDI lemez megfelelő üregéhez a következők szerint:
 - [Kiváló minőségű gDNS] Adjon hozzá 250 µl SMB3-at.
 - [FFPE-ből kivont gDNS] Adjon hozzá 62,5 µl SMB3-at.
- A kiváló minőségű gDNS-hez 100 µl-re, az FFPE-hez pedig 25 µl-re állított pipettával vigye át az egyes összevont könyvtárakat a 96 mintahelyes PCR-lemezről az új MIDI-lemez megfelelő cellájába.
- Zárja le a lemezt, és rázza 1200 rpm fordulatszámon 4 percig.
- Fröccsenés esetén rövid ideig centrifugálja a lemezt.
- Helyezze a poolozott könyvtárlemez a MIDI hőblokk betétre a mikrominta inkubátoron, a EEW cső alá, zárja le a fedelet, majd inkubálja 15 percig a megfelelő hőmérsékleten:
 - [FFPE] 58 °C
 - [80 mer szonda panel] 58 °C
 - [Szomatikus változat hívása] 58 °C
 - [Minden más] 62 °C
- Távolítsa el az összevont könyvtárlemez, és centrifugálja 280 × g erővel 30 másodpercig.
- Azonnal helyezze a MIDI lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (2 perc).
- [Kiváló minőségű gDNS] 200 µl-re beállított pipettával távolítsa el és dobja ki az összes felülúszót mindegyik üregből a gyöngypellet felkavarása nélkül.
- [FFPE-ből kivont gDNS] Egy 90 µl-re beállított pipettával távolítsa el és dobja ki az összes felülúszót mindegyik üregből a gyöngypellet felkavarása nélkül.
- Szívja le, és ártalmatlanítsa az összes reziduális felülúszót.

Mosás

- Távolítsa el a mágneses állványról.
- [Kiváló minőségű gDNS] Gyorsan vegye ki a mikrominta EEW inkubátorból, és adjon hozzá 200 µl-t minden üreghez.
- [FFPE-ből kivont gDNS] Gyorsan távolítsa el a mikrominta EEW inkubátorból, és adjon 50 µl-t minden üreghez.
- Tegye vissza EEW a fel nem használt mintákat a mikrominta inkubátorba, és tartsa melegen.
- Zárja le és rázza 1800 rpm fordulatszámon 4 percig.
- Helyezze a mintalemezt a MIDI hőblokk betétre a mikrominta inkubátorban, a EEW cső alá, zárja le a fedelet, majd inkubálja 5 percig a megfelelő hőmérsékleten:
 - [FFPE] 58 °C

- [80 mer szonda panelek] 58 °C
 - [Szomatikus változat hívása] 58 °C
 - [Minden más panel] 62 °C
7. Azonnal helyezze a MIDI lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (2 perc).
 8. A kiváló minőségű gDNS-hez 200 µl-re, az FFPE-hez pedig 50 µl-re állított pipettával távolítsa el és dobja ki az összes felülúszót az egyes üregekből.
 9. Ismételje meg kétszer az 1–8. lépést, összesen három mosással.

Áthelyezési mosás

1. Távolítsa el a mágneses állványról.
2. **[Kiváló minőségű gDNS]** Gyorsan vegye ki a mikrominta EEW inkubátorból, és adjon hozzá 200 µl-t minden üreghez.
3. **[FFPE-ből kivont gDNS]** Gyorsan távolítsa el a mikrominta EEW inkubátorból, és adjon 50 µl-t minden üreghez.
4. Zárja le és rázza 1800 rpm fordulatszámon 4 percig. Fröccsenés esetén csökkentse a sebességet 1600 rpm értékre.
5. Vigye át az újraszuszpendált gyöngyoldatot egy új MIDI lemezre.
Bizonyos minták a cellákban maradhatnak.



FIGYELEM!

A reagens átvitele minimalizálja a maradék reagensek átvitelét, amelyek gátolhatják a downstream PCR-t.

6. Helyezze a mintalemezt a MIDI hőblokk betétre a mikrominta inkubátoron, zárja le a fedelet, majd inkubálja 5 percig a megfelelő hőmérsékleten:
 - [FFPE] 58 °C
 - [80 mer szonda panelek] 58 °C
 - [Szomatikus változat hívása] 58 °C
 - [Minden más] 62 °C
7. Azonnal helyezze a MIDI lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (2 perc).
8. A kiváló minőségű gDNS-hez 200 µl-re, az FFPE-hez pedig 50 µl-re állított pipettával távolítsa el és dobja ki az összes felülúszót az egyes üregekből.
9. Centrifugálja a lemezt 280 x g-vel 30 másodpercig.
10. Helyezze egy MIDI lemezes mágneses állványra 10 másodpercre.
11. Egy 20 µl-es pipettával távolítsa el és dobja ki a maradék folyadékot az egyes üregekből.
12. Azonnal folytassa az [Hígítás a 44. oldalon](#)-tel, hogy megelőzze a gyöngyök túlzott száradását és a könyvtári kapacitásvesztést.

Hígítás

1. Az elúciós törzselegy elkészítéséhez a következő térfogatokat kombinálja. Szorozza meg az egyes térfogatokat a feldolgozott összevont könyvtárak számával.
 - EE1 (28,5 µl)
 - HP3 (1,5 µl)A térfogat magában foglalja a reagenstöbbletet.
2. Vortexelje, majd rövid ideig centrifugálja.
3. Távolítsa el a MIDI lemezt a mágneses állványról.
4. Adjon 23 µl elúciós törzselegyet mindegyik üreghez.
5. Zárja le a lemezt, és rázza 1800 rpm fordulatszámon 2 percig.
6. Inkubálja a lemezt szobahőmérsékleten 2 percig.
7. Centrifugálja 30 másodpercig 280 × g erővel.
8. Helyezze a MIDI lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (2 perc).
9. Vigyen át 21 µl felülúszót a MIDI lemezről egy új 96-üreges PCR lemez megfelelő üregébe.
10. Ártalmatlanítsa a MIDI lemezt.
11. Adjon 4 µl ET2-t minden 21 µl felülúszót tartalmazó üreghez.
12. Állítsa a pipettát 20 µl-re, és lassan pipetázzon mindegyik mintahelyen 10-szer a összekeveréshez.
13. Zárja le a lemezt, majd centrifugálja 280 × g erővel 10 másodpercig.
14. Inkubálja a lemezt szobahőmérsékleten 1 percig.

Dúsított könyvtár amplifikálása

Ez a lépés PCR-t használ a dúsított könyvtár amplifikálásához.

Fogyóeszközök

- EPM (Enhanced PCR Mix)
- PPC (PCR Primer Cocktail)
- Ragasztós tömítés

Előkészítés

1. Készítse elő a következő fogyóeszközöket:

Elem	Tárolás	Utasítások
EPM	-25 °C és -15 °C között	Olvassa fel 4 °C-on vagy jégen egy órán át. Átfordítással keverje össze, majd rövid ideig centrifugálja. Tegye félre jégre.
PPC	-25 °C és -15 °C között	Olvassa fel 4 °C-on jégen egy órán át. Vortexeléssel keverje össze, majd rövid ideig centrifugálja. Tegye félre jégre.

2. Mentse el a következő AMP programot a hőciklus-szabályozón a megfelelő számú PCR ciklus használatával, amelyek a következő táblázatban szerepelnek.

- Válassza az előfűtött fedél lehetőséget, és állítsa be 100 °C-ra.
- Állítsa a mennyiséget 50 µl-re.
- 98 °C 45 másodpercig
- (X) ciklus következők szerint:
 - 98 °C 30 másodpercig
 - 60 °C 30 másodpercig
 - 72 °C 30 másodpercig
- 72 °C 5 percig
- Tárolás 10 °C-on

A teljes üzemidő ~35 perc.

Minta és panel típusa	(X) Ciklusok
FPPE	14
Illumina Exome Panel (CEX) kiváló minőségű gDNS-hez	10
Illumina Exome Panel (CEX) FPPE-hez	12
Az összes többi minta és panel	12 ¹²³⁴

¹ A kisebb, harmadik féltől származó panelek esetében akár 15 ciklus is beállítható a későbbi optimalizálás révén. FPPE használata esetén a ciklusok száma legfeljebb 17-ig állítható be.

² Akár 17 ciklus is beállítható olyan külső paneleknél, amelyek csak 500 szondával rendelkeznek. FPPE használata esetén a ciklusok száma 19-ig állítható.

³ Az FPPE minták esetében legfeljebb 14 ciklus állítható be.

⁴ A PCR-ciklusok számának növelése magasabb duplikált arányt és kisebb fragmensméreteket eredményezhet az FPPE-minták esetében.

Eljárás

1. Adjon 5 µl-t PPC minden üregbe.

- Adjon 20 µl-t EPM minden üregbe.
- Zárja le a lemezt, és rázza 1200 rpm fordulatszámon 1 percig.
- Centrifugálja a lemezt 280 × g-vel 10 másodpercig.
- Helyezze az előre beprogramozott hőváltoztató inkubátorba, és futtassa az AMP programot.

BIZTONSÁGOS MEGSZAKÍTÁSI PONT

Ha félbehagyja a műveletet, tárolja 2–8 °C-on legfeljebb két napig. Vagy hagyja a hőciklus-szabályozón legfeljebb 24 órán át.

Amplifikált dúsított könyvtár tisztítása

Ez a lépés Cleanup Beads-t használ a dúsított könyvtár tisztítására és a nem kívánt termékek eltávolítására.

Fogyóeszközök

- CB (Cleanup Beads)
- RSB (Resuspension Buffer)
- Frissen elkészített 80%-os etanol (EtOH)
- Ragasztós tömítések
- 96 üregű MIDI lemez
- 96 üregű PCR-lemez
- MIDI lemez mágneses állvány

A reagensekről

- Cleanup Beads
 - Vortexelje minden használat előtt.
 - Gyakran vortexelje a gyöngyök egyenletes eloszlásának biztosítása érdekében.
 - Az oldat viszkozitása miatt lassan aspiráljon és adagoljon.

Előkészítés

- Készítse elő a következő fogyóeszközöket.

Elem	Tárolás	Utasítások
CB	Szobahőmérséklet	Vortexelje és keverje fel, amíg a folyadék színe homogén nem lesz.
RSB	2 °C és 8 °C között	Hozza szobahőmérsékletre. Vortexeléssel keverje össze.

- Abszolút etanolból készítsen frissen 80%-os EtOH-t.

Eljárás

1. Centrifugálja a PCR lemezt 280 × g-vel 10 másodpercig.
2. Vortexelje CB 3-szor 10 másodpercig, majd fordítsa meg.
3. Adjon 40,5 µl CB-t az új **MIDI**lemez minden üregéhez.
4. Vigyen át 45 µl felülúszót a PCR lemez mindegyik üregéből a MIDI emez megfelelő üregébe.
5. Zárja le a lemezt, és rázza 1800 rpm fordulatszámon 1 percig.
6. Inkubálja a MIDI lemezt szobahőmérsékleten 5 percig.
7. Centrifugálja 10 másodpercig 280 × g erővel
8. Helyezze a MIDI lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (5 perc).
9. Egy 95 µl-re beállított pipettával távolítsa el és dobja ki az összes felülúszót az egyes üregekből.
10. Mossa meg kétszer az alábbiak szerint.
 - a. A lemezt a mágneses állványon tartva adjon hozzá 200 µl friss 80%-os EtOH-t keverés nélkül.
 - b. Inkubálja 30 másodpercig.
 - c. A gyöngyök felkavarása nélkül távolítsa el és dobja ki a felülúszót.
11. Szárítsa levegőn a mágneses állványt 5 percig.
12. A levegőn történő szárítás során 20 µl-es pipettával távolítsa el és dobja ki az egyes üregekből visszamaradt EtOH-t.
13. Távolítsa el a mágneses állványról, és adjon 32 µl-t RSB minden üreghez.
14. Zárja le a lemezt, és rázza 1800 rpm fordulatszámon 1 percig.
15. Inkubálja a lemezt szobahőmérsékleten 5 percig.
16. Centrifugálja 10 másodpercig 280 × g erővel
17. Helyezze a MIDI lemezt a mágneses állványra, és várjon, amíg a folyadék kitisztul (2 perc).
18. Vigyen át 30 µl felülúszót a 96-üreges MIDI lemezről az új PCR lemez megfelelő üregébe.
19. Ártalmatlanítsa a MIDI lemezt.

BIZTONSÁGOS MEGSZAKÍTÁSI PONT

Ha félbehagyja a műveletet, zárja le a lemezt, majd -25 °C és -15 °C közötti hőmérsékleten tárolja legfeljebb 7 napig.

A dúsitott könyvtárak ellenőrzése

A kétszálú gDNS-bemenet számszerűsítéséhez használjon fluoreszcencián alapuló módszert, amely interkaláló festéket használ. Kerülje a teljes nukleinsav mérésére szolgáló módszereket, például a NanoDrop-ot vagy más UV abszorbancia módszereket.

1. Futtasson le 1 µl dúsitott könyvtárat a mennyiségi meghatározás módszerével.

MEGJEGYZÉS A teljes szonda molaritás arányosan befolyásolja a dúsítás utáni könyvtár hozamát.
A betét átlagos várható mérete 125–235 bp, a könyvtárdarabok eloszlása pedig ~200 bp és ~1000 bp közötti méretű.

Hígítsa a könyvtárakat a kiindulási koncentrációra

Ez a lépés hígítja a könyvtárakat a szekvenálási rendszer kezdő koncentrációjára, és ez az első lépés a sorozatos hígításban. A kezdő koncentrációra való hígítás után a könyvtárak készen állnak a denaturálásra és a végső betöltési koncentrációra való hígításra.

Szekvenáláshoz, függetlenül a használt dúsítószonda-paneltől, Illumina azt javasolja, hogy állítson be egy páros végű futtatást leolvasásonként 151 ciklussal (2 × 151) és indexmérésenként 10 ciklussal. Ha kevesebb átfedő leolvasást vagy kevesebb nyers lefedettséget szeretne, 2 × 126-ig vagy 2 × 101-ig sorozatot készíthet.

1. Számítsa ki a könyvtár vagy az összevont könyvtárak molaritási értékét a következő képlettel:

- A DNS fragmentum analízátorral minősített könyvtárak esetében a könyvtárhoz kapott átlagos méretet használja.
- Minden egyéb minősítési módszer esetén a könyvtár átlagos mérete 350 bp.

$$\frac{ng / \mu l \times 10^6}{660 \frac{g}{mol} \times \text{átlagos könyvtárméret (bp)}} = \text{Molaritás (nM)}$$

Például, ha a könyvtár koncentrációja 20 ng/μl, és az átlagos méret 350 bp, az eredményként kapott molaritás érték 86,58 nM.

$$\frac{20 \text{ ng} / \mu \text{l} \times 10^6}{660 \frac{g}{mol} \times 350 \text{ (bp)}} = 86,58 \text{ (nM)}$$

2. Az molaritás érték felhasználásával számítsa ki a könyvtáraknak a rendszer kezdő koncentrációjára történő hígításához szükséges RSB térfogatát és könyvtárát.

Szekvenálórendszer	Minimális szükséges könyvtártérfogat (μl)	Kezdő koncentráció (nM)	Végső betöltési koncentráció (pM)
NextSeq 550Dx	10	2	1,2
MiSeqDx	5	4	11
NovaSeq 6000Dx	150 (S2) vagy 310 (S4)	1,75	350

[NovaSeq 6000Dx] 1,75 nM a kezdő koncentráció a végső 350 pM terhelési koncentrációhoz. Szükség esetén állítsa be a végső terhelési koncentrációt az alábbi táblázat segítségével.

Végső betöltési koncentráció (pM)	Összevont könyvtár koncentráció (nM)
100	0,50
150	0,75
200	1

Végző betöltési koncentráció (pM)	Összevont könyvtár koncentráció (nM)
250	1,25
300	1,50
350	1,75
400	2
450	2,25
500	2,50

3. Hígítsa fel a könyvtárakat RSB használatával:

- **Könyvtárak multiplex könyvtárkészletként számszerűsítve** – Hígítsa a poolt a rendszer kezdő koncentrációjára.
- **Egyénileg számszerűsített könyvtárak** – Hígítsa az egyes könyvtárakat a rendszer kezdőkoncentrációjára. Adjon 10 µl-t minden hígított könyvtárból egy csőhöz, hogy multiplexelt könyvtárcsoportot hozzon létre.

4. Kövesse a denaturálásra és hígításra vonatkozó utasításokat a rendszernek a végző terhelési koncentrációig történő hígításához.

- A NextSeq 550Dx rendszerrel kapcsolatban lásd a [NextSeq 550Dx szekvenálás előkészítése a 50. oldalon](#).
- A MiSeqDx rendszerre vonatkozóan lásd a [MiSeqDx szekvenálás előkészítése a 52. oldalon](#) című részt.
- A NovaSeq 6000Dx rendszerrel kapcsolatban lásd a [NovaSeq 6000Dx szekvenálás előkészítése a 53. oldalon](#).

A végző terhelési koncentrációk kiindulási pontok és általános irányelvek. Optimalizálja a koncentrációkat a munkafolyamathoz és a mennyiségi meghatározás módszeréhez a későbbi szekvenálási futtatások vagy áramlási cella titrálása során.

NextSeq 550Dx szekvenálás előkészítése

Kövesse az alábbi utasításokat könyvtárak denaturálásához és hígításához szekvenáláshoz a NextSeq 550Dx szekvenálási rendszeren.

Fogyóeszközök

- HT1 (Hibridizációs puffer)
- 1N NaOH
- 200 mM Tris-HCl, pH 7,0

Előkészítés

Készítsen *friss*, 0,2 N-os hígítású NaOH oldatot a könyvtárak szekvenálás céljából történő denaturálásához. Extra térfogat készül a kis pipettázási hibáknak a végső NaOH koncentrációra gyakorolt hatásának elkerülése érdekében.



FIGYELEM!

A frissen hígított 0,2N NaOH elengedhetetlen a denaturációs folyamathoz. A nem megfelelő denaturáció csökkentheti a hozamot.

1. Készítse elő a következő fogyóeszközöket.

Elem	Tárolás	Utasítások
HT1	-25 °C és -15 °C között	Olvassa fel szobahőmérsékleten. Tárolja 2–8 °C-on, amíg készen nem áll a denaturált könyvtárak hígítására.

2. A NaOH friss hígításának elkészítéséhez a következő térfogatokat keverje össze mikrocentrifugás csőben:

- Laboratóriumi minőségű víz (800 µl)
- 1N NaOH (200 µl)

Az eredmény 1 ml 0,2N NaOH.

3. Keverje össze a kémcső több alkalommal történő átfordításával.

4. A 200 mM Tris-HCl, pH 7,0 elkészítéséhez a következő térfogatokat keverje össze mikrocentrifugás csőben.

- Laboratóriumi minőségű víz (800 µl)
- 1M Tris-HCl, pH 7,0 (200 µl)

Az eredmény 1 ml 200 mM Tris-HCl, pH 7,0

MEGJEGYZÉS Tartsa a kémcsövet kupakkal lezárva. A friss hígítást **12 órán** belül használja fel.

Könyvtárak denaturálása

1. Keverje össze a következő könyvtári térfogatokat és frissen hígított 0,2 N NaOH-t egy mikrocentrifugás csőben.

- 10 µl könyvtár
- 10 µl 0,2N NaOH

2. Röviden keverje meg, majd centrifugálja 280 × g-vel 1 percen keresztül.

3. Inkubálja szobahőmérsékleten 5 percig.

4. Adjon hozzá 10 µl 200 mM Tris-HCl-t, pH 7.

Könyvtárak hígítása és denaturálása 20 pM-re

1. Adjon 970 µl előhűtött HT1-et a denaturált könyvtárak csövéhez.
Az eredmény egy 20 pM denaturált könyvtár.
2. Röviden keverje meg, majd centrifugálja 280 × g-vel 1 percen keresztül.
3. Helyezze a 20 pM könyvtárat jégre, amíg készen nem áll a végső hígításra.

Hígítsa a könyvtárakat a betöltési koncentrációra

1. Adja hozzá a következő térfogatokat a denaturált 20 pM könyvtárhoz 1,2 pM-hez.
 - Denaturált könyvtári oldat (78 µl)
 - Előhűtött HT1 (1222 µl)A teljes térfogat 1,3 ml 1,2 pM-nél.
2. Fordítsa át a keveréshez, majd pulzálja a centrifugát.
3. Folytassa a szekvenálással. Az utasításokat lásd a *NextSeq 550Dx eszköz referencia-útmutatójában* (dokumentumszám: 100000009513) és a *Local Run Manager DNA Generate FASTQ Dx munkafolyamat útmutató NextSeq 550Dx-hez* (dokumentumszám: 200015671), vagy a *DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx az NextSeq 550Dx alkalmazáson felhasználói útmutatójában* (dokumentumszám: 200025238).

MiSeqDx szekvenálás előkészítése

A MiSeqDx szekvenálási rendszeren a könyvtárak denaturálásához és hígításához kövesse az alábbi utasításokat.

Fogyóeszközök

- HT1 (Hibridizációs puffer)
- 1N NaOH

Előkészítés

Készítsen *friss*, 0,2 N-os hígítású NaOH oldatot a könyvtárak szekvenálás céljából történő denaturálásához. Extra térfogat készül a kis pipettázási hibáknak a végső NaOH koncentrációra gyakorolt hatásának elkerülése érdekében.



FIGYELEM!

A frissen hígított 0,2N NaOH elengedhetetlen a denaturációs folyamathoz. A nem megfelelő denaturáció csökkentheti a hozamot.

1. Készítse elő a következő fogyóeszközöket.

Elem	Tárolás	Utasítások
HT1	-25 °C és -15 °C között	Olvassza fel szobahőmérsékleten. Tárolja 2–8 °C-on, amíg készen nem áll a denaturált könyvtárak hígítására.

- A NaOH friss hígításának elkészítéséhez a következő térfogatokat keverje össze mikrocentrifugás csőben:
 - Laboratóriumi minőségű víz (800 µl)
 - 1N NaOH (200 µl)
 Az eredmény 1 ml 0,2N NaOH.

MEGJEGYZÉS Tartsa a kémcsövet kupakkal lezárva. A friss hígítást **12 órán** belül használja fel.

Denature a 4 nM könyvtár

- Adja a következő térfogatokat egy mikrocentrifuga-csőbe.
 - 4 nM könyvtár (5 µl)
 - 0,2N NaOH (5 µl)
- Röviden keverje meg, majd centrifugálja 280 × g-vel 1 percen keresztül.
- Inkubálja szobahőmérsékleten 5 percig.
- Adjon 990 µl előhűtött HT1-et a denaturált könyvtárat tartalmazó kémcsőhöz. Az eredmény 1 ml 20 pM denaturált könyvtár.

Hígított denaturált 20 pM könyvtár

- Hígítsa a kívánt koncentrációra a következő térfogatok használatával.

Koncentráció	6 pM	8 pM	10 pM	11 pM	12 pM	15 pM	20 pM
20 pM könyvtár	180 µl	240 µl	300 µl	330 µl	360 µl	450 µl	600 µl
Előhűtött HT1	420 µl	360 µl	300 µl	270 µl	240 µl	150 µl	0 µl

- Fordítsa át a keveréshez, majd pulzálja a centrifugát.
- Folytassa a szekvenálással. Az utasításokat lásd: *MiSeqDx készülék referencia-útmutató az MOS v4-hez* (dokumentumszám: 1000000157953) és a *Local Run Manager DNA Generate FASTQ Dx munkafolyamat útmutatója MiSeqDx-hez* (dokumentumszám: 200015661) című dokumentumban.

NovaSeq 6000Dx szekvenálás előkészítése

A NovaSeq 6000Dx szekvenáláshoz használt könyvtárak denaturálásához és hígításához kövesse az alábbi utasításokat.

Fogyóeszközök

- HP3 (2N NaOH)
- RSB (Resuspension Buffer)
- 1N NaOH
- 10 mM Tris-HCl, pH 8,5
- 400 mM Tris-HCl, pH 8,0
- NovaSeq 6000Dx könyvtár kémcső

Előkészítés

Készítsen *friss*, 0,2 N-os hígítású NaOH oldatot a könyvtárak szekvenálás céljából történő denaturálásához. Extra térfogat készül a kis pipettázási hibáknak a végső NaOH koncentrációra gyakorolt hatásának elkerülése érdekében.



FIGYELEM!

A frissen hígított 0,2N NaOH elengedhetetlen a denaturációs folyamathoz. A nem megfelelő denaturáció csökkentheti a hozamot.

1. Az 1N NaOH 0,2N NaOH-ra hígításához keverje össze a következő térfogatokat mikrocentrifugás kémcsőben:

4 táblázat S2 mód

Reagens	Egy áramlási cella térfogata (µl)	Két áramlási cella térfogata (µl)
Laboratóriumi minőségű víz	40	80
1N készlet NaOH	10	20

Ezek a térfogatok 50 µl 0,2 N-os NaOH-t eredményeznek egy áramlási cellára vagy 100 µl 0,2 N-os NaOH-t két áramlási cellára.

5 táblázat S4 mód

Reagens	Egy áramlási cella térfogata (µl)	Két áramlási cella térfogata (µl)
Laboratóriumi minőségű víz	80	160
1N készlet NaOH	20	40

Ezek a térfogatok 100 µl 0,2 N-os NaOH-t eredményeznek egy áramlási cellára vagy 200 µl 0,2 N-os NaOH-t két áramlási cellára.

2. Fordítsa át többször a keveréshez, vagy vortexelje alaposan.

3. A 400 mM Tris-HCl, pH 8,0 elkészítéséhez a következő térfogatokat keverje össze mikrocentrifugás kémcsőben.

- Laboratóriumi minőségű víz (600 µl)
- 1M Tris-HCl, pH 8,0 (400 µl)

Az eredmény 1 ml 400 mM Tris-HCl, pH 8,0

MEGJEGYZÉS Tartsa a kémcsövet kupakkal lezárva. A friss hígítást **12 órán** belül használja fel.

Normalizált könyvtárcsoport létrehozása

A betöltési koncentráció változó lehet a könyvtárak előkészítésétől, a mennyiségi meghatározási módszerektől és a normalizálástól függően.

Az alábbi utasítások segítségével normalizálhatja a könyvtárakat a megfelelő koncentrációra, majd összevonhatja azokat. Az azonos áramlási cellán sorba rendezett könyvtárakat egyetlen normalizált poolba kell kombinálni.

MEGJEGYZÉS A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx készlet segítségével sávonként legfeljebb 192 minta futtatható. Ez a határérték az A és B készletben található UD indexek teljes száma miatt van.

Könyvtárak normalizálása poolozáshoz

1. Határozza meg a szükséges összevont könyvtárkoncentrációt a kívánt végső betöltési koncentráció alapján.
 - 350 pM végső betöltési koncentráció esetén a szükséges összevont könyvtárkoncentráció 1,75 nM.
 - Egy másik végső betöltési koncentráció összevont könyvtárkoncentrációjának meghatározásához lásd [a Hígítsa a könyvtárakat a kiindulási koncentrációra a 49. oldalon](#) részben.
2. Normalizálja a könyvtárakat a kívánt összevont könyvtárkoncentrációhoz 10 mM Tris-HCl-vel, pH 8,5. A könyvtárak megfelelő koncentrációra történő hígításával kapcsolatos segítségért tekintse meg a Illumina webhely [Poolozási kalkulátorát](#).

Javasolt betöltési koncentrációk

Az optimális DNS betöltési koncentráció a könyvtár típusától és a betét méretétől függ. > 450 bp könyvtárak esetén nagyobb terhelési koncentrációra lehet szükség.

Pool normalizált könyvtárak és opcionális PhiX vezérlés hozzáadása

1. Egyesítse az egyes normalizált könyvtárak megfelelő térfogatát egy új mikrocentrifuga csőben, hogy a következő végleges térfogatok egyikét kapja:

Üzem mód	Vég ső térfogat (µl)
S2	150
S4	310

2. [Opcionális] Szűrja meg 1%-os nem denaturált PhiX>-ben az alábbiak szerint.
 - a. Hígítson 10 nM PhiX-et 2,5 nM-re 10 mM Tris-HCl-vel, pH 8,5.
 - b. Adja hozzá a megfelelő mennyiségű nem denaturált 2,5 nM PhiX-et a nem denaturált könyvtárkészlet kémcsövéhez.

Üzem mód	Nem denaturált 2,5 nM PhiX (µl)	Nemdenaturált könyvtár csoport (µl)
S2	0,9	150
S4	1,9	310

PhiX-ben történő tuskézés esetén a kiegyensúlyozott könyvtárak számára az ajánlott mennyiség 1%. Az alacsony sokféleségű könyvtárakban többre lehet szükség. Ha a PhiX vezérlőt alacsony sokszínűségű könyvtárakkal szeretné használni, útmutatásért forduljon a Illumina műszaki támogatáshoz.

Denaturált könyvtár csoport és Opcionális PhiX vezérlés

1. Adjon 0,2N NaOH-t a nem denaturált könyvtárkészlet és az opcionális PhiX kémcsöhöz az alábbiak szerint.

Áramlási cella	0,2N NaOH	Nemdenaturált könyvtár csoport (µl)	Eredményül kapott térfogat
S2	37	150	187 µl vagy 187,9 µl PhiX-szel
S4	77	310	387 µl vagy 388,9 µl PhiX-szel

2. Csavarja rá a kupakot, majd rövid ideig vortexelje.
3. Centrifugálja 280 × g-vel legfeljebb 1 percig.
4. Inkubálja szobahőmérsékleten 8 percig a denaturálás miatt.
5. A semlegesítéshez adjon hozzá 400 mM Tris-HCl-t, pH 8,0-t az alábbiak szerint.

Üzem mód	400 mM Tris-HCl, pH 8,0 (µl)	Eredményül kapott térfogat
S2	38	225 µl vagy 225,9 µl PhiX-szel
S4	78	465 µl vagy 466,9 µl PhiX-szel

6. Csavarja rá a kupakot, majd rövid ideig vortexelje.
7. Centrifugálja 280 × g-vel legfeljebb 1 percig.
8. Vigye át a denaturált könyvtár vagy a denaturált könyvtár és a PhiX teljes térfogatát a NovaSeq 6000Dx könyvtár csövébe.

9. Folytassa a szekvenálással. Az utasításokat lásd a *NovaSeq 6000Dx* készülék termékdokumentációjában (dokumentumszám: 200010105) és a *DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx for NovaSeq 6000Dx* dokumentumban (dokumentumszám: 200014776).

Hibaelhárítás

A következő táblázat segítségével elháríthatja a munkafolyamat során felmerülő problémákat. Ha egy minta szekvenálási futtatása vagy könyvtár-előkészítése kétszer sikertelen, további hibaelhárításra lehet szükség. Vegye fel a kapcsolatot az Illumina műszaki ügyfélszolgálatával.

Megfigyelés	Lehetséges Ok	Ajánlott Teendő
A szekvenálási futtatás nem felel meg a minőség-ellenőrzésen Műszaki adatok	Felhasználói vagy laboratóriumi berendezés hibája a vizsgálat munkafolyamatában	<p>Minősítse a dúsított könyvtárakat a megfelelő könyvtárkapacitás és fragmentumok méretének elosztása érdekében. Ismételje meg a könyvtár előkészítését a következő lépések egyikével, attól függően, hogy hol történt a használat vagy a berendezés hibája. Ha ismeretlen vagy más hiba történt, a futtatás hibaelhárításához lépjen kapcsolatba a Illumina műszaki támogatással.</p> <ul style="list-style-type: none"> • Könyvtárak követése. Lásd: NextSeq 550Dx szekvenálás előkészítése a 50. oldalon, MiSeqDx szekvenálás előkészítése a 52. oldalon, vagy NovaSeq 6000Dx szekvenálás előkészítése a 53. oldalon. • A könyvtárak újradúsítása. Lásd: Szondák hibridizálása a 37. oldalon. • A könyvtár előkészítésének megkezdése a munkafolyamat elejétől. Lásd a Használati útmutató a 21. oldalon.
	Műszer probléma	Vegye fel a kapcsolatot az Illumina műszaki ügyfélszolgálatával.
Hiba a FASTQ létrehozásánál vagy általános szekvenálási rendszerhiba (pl. hálózati hiba, reagensek betöltése/eltávolítása stb.)	Szoftver- vagy műszerhiba	<p>Az analízissel kapcsolatos segítségért olvassa el a modult vagy az alkalmazási útmutatót, vagy olvassa el a <i>NextSeq 550Dx készülék ismertető kézikönyve (dokumentumszám: 100000009513)</i>, a <i>MiSeqDx készülék referencia-útmutató az MOS v4-hez (dokumentumszám: 1000000157953)</i>, vagy a <i>NovaSeq 6000Dx készülék termékdokumentációját (dokumentumszám: 200010105)</i>.</p> <p>További segítségért forduljon a Illumina műszaki támogatáshoz.</p>

Megfigyelés	Lehetséges Ok	Ajánlott Teendő
A DNS könyvtár nem generál elegendő hozamot a szekvenálás betöltéséhez	A mintabemenetre vonatkozó követelmények nem teljesültek	Ellenőrizze a megfelelő mintabevitelt, és ismételje meg a könyvtár előkészítését. Lásd: Mintabeviteli ajánlások a 18. oldalon .
	Használati vagy berendezéshiba a vizsgálat munkafolyamatában	Ismételje meg a könyvtár előkészítését a következő lépések egyikével, attól függően, hogy hol történt a használat vagy a berendezés hibája. Ha ismeretlen vagy más hiba történt, a futtatás hibaelhárításához lépjen kapcsolatba a Illumina műszaki támogatással. <ul style="list-style-type: none"> • Könyvtárak követése. Lásd: NextSeq 550Dx szekvenálás előkészítése a 50. oldalon, MiSeqDx szekvenálás előkészítése a 52. oldalon, vagy NovaSeq 6000Dx szekvenálás előkészítése a 53. oldalon. • A könyvtárak újradúsítása. Lásd: Szondák hibridizálása a 37. oldalon. • A könyvtár előkészítésének megkezdése a munkafolyamat elejétől. Lásd a Használati útmutató a 21. oldalon.
	A dúsító szonda panelre vonatkozó követelmények nem teljesültek	Gondoskodjon a dúsítószonda megfelelő paneljéről, és ismételje meg a könyvtár előkészítését. Lásd: Dúsítási szondapanel követelményei a 10. oldalon .

Teljesítményjellemzők

Teljes exom panelek teljesítménye

Az exom panel teljesítményét a Coriell Cell Line gDNS NA12878 legalacsonyabb (50 ng) és legmagasabb (1000 ng) ajánlott bemenetével tesztelték, ismert igazságkészlettel csíravonal variáns kimutatásához (Coriell platinum genom). Az 1-es exompanelt (45 Mb) és a 2-es exompanelt (36,8 Mb) használták reprezentatív panelként. A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx vizsgálat során 24 műszaki replikátumot teszteltek az 1-es exompanellel (45 Mb) két 12-plex dúsítási reakcióban. A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx vizsgálat során 12 technikai replikátumot teszteltek 2-es exompanellel (36,8 Mb) egyetlen 12-plex dúsítási reakcióban. A dúsított könyvtárakat a DNA GenerateFASTQ Dx Local Run Manager modullal együtt a NextSeq 550Dx szekvenálási rendszeren sorba rendezték.

Az alábbi táblázat az egyes panelekkel tesztelt műszaki replikátumok másodlagos szekvenálási és variánshívási teljesítménymutatóinak átlagértékeit mutatja.

6 táblázat Vizsgálati teljesítmény két teljes exom panellel

Panel	Párnázott, egyedi leolvasási dúsítás	Lefedettségi egységessége	Fragmenshossz medián	SNV visszahívása ¹	SNV pontosság ²	Belső visszahívás ¹	Belső pontosság ²
Exom panel 1 (45 Mb)	80%	96%	186 bp	96%	99%	90%	89%
Exom panel 2 (36,8 MB)	93%	98%	188 bp	96%	99%	92%	93%

¹Visszahívás=Pozitív/(igaz pozitív + hamis negatív)

²Pontosság=Igaz pozitív/(Igaz pozitív + hamis pozitív)

Kimutatási határérték

A kimutatási határ teszteléséhez a Horizon HD799 DNS referencia standardot használták. A HD799 mérsékelten veszélyeztetett, formalinnal kezelt DNS-ből áll ismert SNV-kkel, 1–24,5%-os allélfrekvencián. A legalacsonyabb ajánlott DNS-bemenetet (50 ng) használták, és értékelték a $\geq 5,0\%$ -os variáns allélfrekvenciával (VAF) rendelkező SNV-k detektálási arányát. 16 műszaki replikátumot teszteltek a Illumina DNA Prep with Enrichment Dx vizsgálat során FFPE-munkafolyamattal, dúsítópanellel (1,94 Mb) dúsítva 16 (1 plex) dúsításban, majd szekvenálva egy NextSeq 550Dx készüléken a DNA GenerateFASTQ Dx modulal.

Az összes minta megfelelt a panelspecifikus mintateljesítmény-követelményeknek, amint az a következő táblázatban látható.

7 táblázat Mintateljesítmény kimutatási határhoz

Panel	Az SNV-k variánsészlelési aránya $\geq 5,0\%$ VAF	Átlag Lefedettségi egységessége
Pan-cancer dúsító panel (1,94 Mb, 523 gén)	100%	99%

Zavaró anyagok

A Illumina DNA Prep with Enrichment Dx működését potenciálisan zavaró anyagok hatásának értékelése történt a vizsgálatnak az ilyen anyagok jelenlétében tapasztalt teljesítménye értékelésével.

Interferencia teljes vérben

Az acetaminofent (exogén vegyület, gyógyszer), a kreatinint és a triglicerideket (endogén metabolitok) a DNS-extrakció előtt teljes humán vérmintákhoz adták. A vérvételből eredő interferencia (túl kevés vér levétele) értékeléséhez EDTA-t is adtak a teljes vérmintákhoz. Ezenkívül a minta előkészítéséből eredő interferencia értékeléséhez molekuláris minőségű etanolt oltottak be a teljes vérből kivont DNS-be.

Az alábbi táblázat a interferensenkénti teszt koncentrációkat mutatja.

8 táblázat A teljes vérben tesztelt potenciálisan interferáló anyagok és koncentrációk

Vizsgált anyag	Teszt koncentrációja
Acetaminophen	15,6 mg/dL* A gyógyszerterápiás dózis után várható legmagasabb koncentráció háromszorosa.
Kreatinin	15 mg/dL* A legmagasabb megfigyelt koncentráció a populációban.
Trigliceridek	1,5 g/dL* A legmagasabb megfigyelt koncentráció a populációban.
EDTA	6 mg/mL A várt koncentráció háromszorosa, EDTA-s csövekbe levéve.
Molekuláris minőségű etanol	15% v/v Az eluátum DNS utáni extrakciójában.

*A CLSI EP37-ED1:2018 szerint

Interferáló anyagokként 12 technikai replikátumot teszteltek a Illumina DNA Prep with Enrichment Dx vizsgálat során, amelyeket exompanellel dúsítottak 1 (45 Mb) egyetlen (12-plex) dúsításban, majd sorozatban egy NextSeq 550Dx készüléken a DNA GenerateFASTQ Dx modullal.

A tesztelt anyagok esetében mind a 12 minta megfelelt a minta teljesítményére vonatkozó követelményeknek, és nem figyeltek meg interferenciát a vizsgálat teljesítményével.

Interferencia az FFPE szövetben

Két kolorektális FFPE mintát vizsgáltak hemoglobin jelenlétében és hiányában 0,1 mg/10 µm FFPE szekcióban, hogy a legrosszabb esetben az FFPE-szövetminta 50%-os szennyeződését jelentsék magas hemoglobinszinttel rendelkező vérrel. A mintákat a Illumina DNA Prep with Enrichment Dx vizsgálat során 1-es pan-cancer dúsító panel (1,94 Mb) segítségével vizsgálták reprezentatív panelként egyplex dúsításokban. A dúsított könyvtárakat ezután a DNA GenerateFASTQ Dx modullal egy NextSeq 550Dx készüléken szekvenálták. Minden minta megfelelt a minta teljesítményére vonatkozó követelményeknek, és kimutatták, hogy a hemoglobin nem zavarja a vizsgálat teljesítményét.

A mintaelőkészítésből eredő interferencia értékeléséhez két exogén vegyületet oltottak be egy húgyhólyagrák FFPE szövetmintájából kivont DNS-be. A vizsgált exogén anyagok a következő táblázatban a vizsgált mennyiségekkel együtt felsorolt, a DNS-extrakció során gyakran használt kivonási oldatok.

A vizsgálati anyag oldatok kereskedelmi forgalomban kaphatók oszlopalapú DNS-izolációs készletekben.

9 táblázat Az FFPE-ben tesztelt potenciálisan zavaró exogén anyagok és koncentrációk

Vizsgált anyag	Tesztkoncentráció (µl / 30 µl eluátum)
Deparaffinizálási oldat	113 x 10 ⁻⁶
AW2 mosópuffer	0,417

Interferáló anyagokként nyolc technikai replikátumot teszteltek a Illumina DNA Prep with Enrichment Dx vizsgálat során, amelyeket egy pan-cancer dúsító pannellel (1,94 Mb) dúsítottak egyplex dúsításokban, majd a DNA GenerateFASTQ Dx modulral egy NextSeq 550Dx műszeren szekvenálták.

Mindkét tesztelt anyag esetében mind a nyolc minta megfelelt a minta teljesítményére vonatkozó követelményeknek, és nem figyeltek meg interferenciát a vizsgálat teljesítményében.

Keresztszennyeződés

Az Illumina DNA Prep with Enrichment Dx vizsgálat során a Coriell Cell Line gDNA NA12878 (női, 10 minta), a Coriell Cell Line gDNA NA12877 (férfi, 12 minta) és egyetlen sablon kontrollt (NTC, 2 minta) sem vizsgáltak az ellenőrzőlemez elrendezésben. Minden minta a legmagasabb (1000 ng) gDNS bemeneti ajánlást használta a legszigorúbb feltételként a minta keresztszennyeződésének értékeléséhez. A tesztelést két külön kezelő végezte. Az 1-es exompanel (45 Mb) 12-plex dúsítási reakcióban használták. A dúsított könyvtárak sorozata a NextSeq 550Dx rendszeren történt a DNA GenerateFASTQ Dx segítségével. Az értékelést a férfi specifikus Y-kromoszóma női mintákban való lefedettségének felmérésével végezték, a női minták teljes lemezének háttérszintjével összehasonlítva, valamint az NTC minták index reprezentációjával.

10 táblázat Keresztszennyeződési eredmények

Női minták férfi Y-kromoszóma lefedettséggel < 3x kiindulási zajban	Index reprezentáció az NTC-ben
100%	< 0,0005%

DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx alkalmazás teljesítménnyel

A DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx alkalmazás NovaSeq 6000Dx-hez teljesítményjellemzőit a *NovaSeq 6000Dx eszköz használati utasítása* tartalmazza (dokumentumszám: 200025276).

A DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx on NextSeq 550Dx ugyanazokat a másodlagos elemzési munkafolyamatokat biztosítja, mint a NovaSeq 6000Dx alkalmazás, beleértve a következő három munkafolyamatot: FASTQ generálás, FASTQ és VCF generálás csírvonal variáns kimutatáshoz és FASTQ és VCF generálás szomatikus variáns kimutatáshoz.

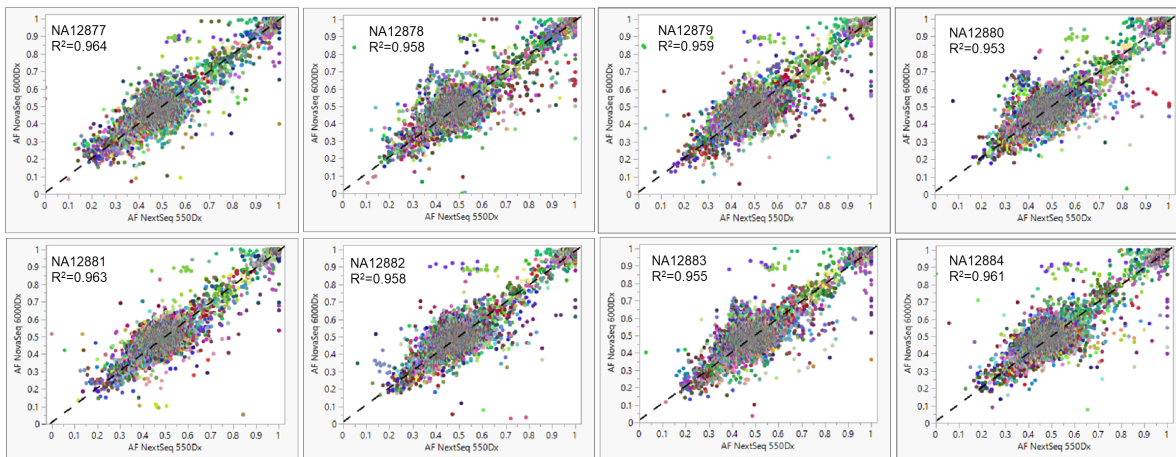
Az összehasonlítható másodlagos elemzési teljesítményt mindkét platformon sorba rendezett könyvtár-előkészítésből kaptuk. A Coriell Cell Line gDNS minták esetében a variánsok detektálási arányát (11 táblázat) és a gyakorisági egyezést (1 ábra) egy reprezentatív vizsgálattal értékelték, amelynek célja az volt, hogy mind a 23 humán kromoszómában 1 970 505 bázist (9232 célpontot) lefedő különböző géneket kérdezzen le. Nyolc Platinum Genome DNS mintát teszteltek, hét replikátum hatból (NA12877, NA12878, NA12879, NA12880, NA12882, NA12883, NA12884) és egy (NA12881) ötből álló replikátumból (lásd az 1 ábra). A könyvtárakat három futtatással sorba rendezték NovaSeq 6000Dx és NextSeq 550Dx műszereken, és a variáns hívást a FASTQ és VCF generáció használatával végezték a DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx alkalmazás csírvonal variáns kimutatási munkafolyamatához.

A NovaSeq 6000Dx és a NextSeq 550Dx műszereken az alkalmazás teljesítménye közötti erős korreláció alapján a *NovaSeq 6000Dx műszer használati útmutatójában* (dokumentumszám: 200025276) megadott másodlagos elemzéssel kapcsolatos teljesítményjellemzőket is a DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx NextSeq 550Dx alkalmazásban kell alkalmazni.

11 táblázat Alkalmazás teljesítménye – Változatészlelési sebesség SNV-k, beszúrások és törlések esetén

Panel	Változatészlelési sebesség a NovaSeq 6000Dx készüléken	Változatészlelési sebesség a NextSeq 550Dx készüléken
Pan-genom panel (1,97 Mb, 9232 cél, 23 óra)	99,9%	99,9%

1 ábra A NovaSeq 6000Dx és a NextSeq 550Dx frekvencia-összehasonlítása DRAGEN for IDPE Dx alkalmazás elemzéssel fut



Függelék: Illumina UD indexek adapter szekvenciái

Ezek az egyedi kettős (UD) index adapterek a lemezben vannak elrendezve az ajánlott párosítási stratégia érvényesítéséhez. Az index adapterek 10 bázis hosszúak a tipikus nyolc bázis helyett.

Index 1 (i7) adapterek

CAAGCAGAAGACGGCATACGAGAT [i 7] GTCTCGTGGGCTCGG

Index 2 (i5) adapterek

AATGATACGGCGACCACCGAGATCTACAC [i 5] TCGTCGGCAGCGTC

A következő sorrend használatos az 1. olvasás és a 2. olvasás adapterének vágásához.

CTGTCTCTTATACACATCT

A lemez/1. készlet indexadapterei

Index neve	i7 bázisok adapterben	i5 bázisok adapterben
UDP0001	CGCTCAGTTC	TCGTGGAGCG
UDP0002	TATCTGACCT	CTACAAGATA
UDP0003	ATATGAGACG	TATAGTAGCT
UDP0004	CTTATGGAAT	TGCCTGGTGG
UDP0005	TAATCTCGTC	ACATTATCCT
UDP0006	GCGCGATGTT	GTCCACTTGT
UDP0007	AGAGCACTAG	TGGAACAGTA

Index neve	i7 bázisok adapterben	i5 bázisok adapterben
UDP0008	TGCCTTGATC	CCTTGTTAAT
UDP0009	CTACTCAGTC	GTTGATAGTG
UDP0010	TCGTCTGACT	ACCAGCGACA
UDP0011	GAACATACGG	CATACACTGT
UDP0012	CCTATGACTC	GTGTGGCGCT
UDP0013	TAATGGCAAG	ATCACGAAGG
UDP0014	GTGCCGCTTC	CGGCTCTACT
UDP0015	CGGCAATGGA	GAATGCACGA
UDP0016	GCCGTAACCG	AAGACTATAG
UDP0017	AACCATTCTC	TCGGCAGCAA
UDP0018	GGTTGCCTCT	CTAATGATGG
UDP0019	CTAATGATGG	GGTTGCCTCT
UDP0020	TCGGCCTATC	CGCACATGGC
UDP0021	AGTCAACCAT	GGCCTGTCCT
UDP0022	GAGCGCAATA	CTGTGTTAGG
UDP0023	AACAAGGCGT	TAAGGAACGT
UDP0024	GTATGTAGAA	CTAACTGTAA
UDP0025	TTCTATGGTT	GGCGAGATGG
UDP0026	CCTCGCAACC	AATAGAGCAA
UDP0027	TGGATGCTTA	TCAATCCATT
UDP0028	ATGTCGTGGT	TCGTATGCGG
UDP0029	AGAGTGCGGC	TCCGACCTCG
UDP0030	TGCCTGGTGG	CTTATGGAAT
UDP0031	TGCGTGTAC	GCTTACGGAC
UDP0032	CATACACTGT	GAACATACGG
UDP0033	CGTATAATCA	GTCGATTACA
UDP0034	TACGCGGCTG	ACTAGCCGTG
UDP0035	GCGAGTTACC	AAGTTGGTGA
UDP0036	TACGGCCGGT	TGGCAATATT
UDP0037	GTCGATTACA	GATCACCGCG

Index neve	i7 bázisok adapterben	i5 bázisok adapterben
UDP0038	CTGTCTGCAC	TACCATCCGT
UDP0039	CAGCCGATTG	GCTGTAGGAA
UDP0040	TGACTACATA	CGCACTAATG
UDP0041	ATTGCCGAGT	GACAAC TGAA
UDP0042	GCCATTAGAC	AGTGGTCAGG
UDP0043	GGCGAGATGG	TTCTATGGTT
UDP0044	TGGCTCGCAG	AATCCGGCCA
UDP0045	TAGAATAACG	CCATAAGGTT
UDP0046	TAATGGATCT	ATCTCTACCA
UDP0047	TATCCAGGAC	CGGTGGCGAA
UDP0048	AGTGCCACTG	TAACAATAGG
UDP0049	GTGCAACACT	CTGGTACACG
UDP0050	ACATGGTGTC	TCAACGTGTA
UDP0051	GACAGACAGG	ACTGTTGTGA
UDP0052	TCTTACATCA	GTGCGTCCTT
UDP0053	TTACAATTCC	AGCACATCCT
UDP0054	AAGCTTATGC	TTCCGTCGCA
UDP0055	TATTCTCAG	CTTAACCACT
UDP0056	CTCGTGCGTT	GCCTCGGATA
UDP0057	TTAGGATAGA	CGTCGACTGG
UDP0058	CCGAAGCGAG	TACTAGTCAA
UDP0059	GGACCAACAG	ATAGACCGTT
UDP0060	TTCCAGGTAA	ACAGTTCCAG
UDP0061	TGATTAGCCA	AGGCATGTAG
UDP0062	TAACAGTGTT	GCAAGTCTCA
UDP0063	ACCGCGCAAT	TTGGCTCCGC
UDP0064	GTTTCGCGCCA	AACTGATACT
UDP0065	AGACACATTA	GTAAGGCATA
UDP0066	GCGTTGGTAT	AATTGCTGCG
UDP0067	AGCACATCCT	TTACAATTCC

Index neve	i7 bázisok adapterben	i5 bázisok adapterben
UDP0068	TTGTTCCGTG	AACCTAGCAC
UDP0069	AAGTACTCCA	TCTGTGTGGA
UDP0070	ACGTCAATAC	GGAATTCCAA
UDP0071	GGTGTACAAG	AAGCGCGCTT
UDP0072	CCACCTGTGT	TGAGCGTTGT
UDP0073	GTTCCGCAGG	ATCATAGGCT
UDP0074	ACCTTATGAA	TGTTAGAAGG
UDP0075	CGCTGCAGAG	GATGGATGTA
UDP0076	GTAGAGTCAG	ACGGCCGTCA
UDP0077	GGATACCAGA	CGTTGCTTAC
UDP0078	CGCACTAATG	TGACTACATA
UDP0079	TCCTGACCGT	CGGCCTCGTT
UDP0080	CTGGCTTGCC	CAAGCATCCG
UDP0081	ACCAGCGACA	TCGTCTGACT
UDP0082	TTGTAACGGT	CTCATAGCGA
UDP0083	GTAAGGCATA	AGACACATTA
UDP0084	GTCCACTTGT	GCGCGATGTT
UDP0085	TTAGGTACCA	CATGAGTACT
UDP0086	GGAATTCCAA	ACGTCAATAC
UDP0087	CATGTAGAGG	GATACCTCCT
UDP0088	TACACGCTCC	ATCCGTAAGT
UDP0089	GCTTACGGAC	CGTGTATCTT
UDP0090	CGCTTGAAGT	GAACCATGAA
UDP0091	CGCCTTCTGA	GGCCATCATA
UDP0092	ATACCAACGC	ACATACTTCC
UDP0093	CTGGATATGT	TATGTGCAAT
UDP0094	CAATCTATGA	GATTAAGGTG
UDP0095	GGTGAATAC	ATGTAGACAA
UDP0096	TGGACGGAGG	CACATCGGTG

B lemez/2. készlet indexadapterei

Index neve	i7 bázisok adapterben	i5 bázisok adapterben
UDP0097	CTGACCGGCA	CCTGATACAA
UDP0098	GAATTGAGTG	TTAAGTTGTG
UDP0099	GCGTGTGAGA	CGGACAGTGA
UDP0100	TCTCCATTGA	GCACTACAAC
UDP0101	ACATGCATAT	TGGTGCCTGG
UDP0102	CAGGCGCCAT	TCCACGGCCT
UDP0103	ACATAACGGA	TTGTAGTGTA
UDP0104	TTAATAGACC	CCACGACACG
UDP0105	ACGATTGCTG	TGTGATGTAT
UDP0106	TTCTACAGAA	GAGCGCAATA
UDP0107	TATTGCGTTC	ATCTTACTGT
UDP0108	CATGAGTACT	ATGTTCGTGGT
UDP0109	TAATTCTACC	GTAGCCATCA
UDP0110	ACGCTAATTA	TGGTTAAGAA
UDP0111	CCTTGTTAAT	TGTTGTTCGT
UDP0112	GTAGCCATCA	CCAACAACAT
UDP0113	CTTGTAATTC	ACCGGCTCAG
UDP0114	TCCAATTCTA	GTTAATCTGA
UDP0115	AGAGCTGCCT	CGGCTAACGT
UDP0116	CTTCGCCGAT	TCCAAGAATT
UDP0117	TCGGTCACGG	CCGAACGTTG
UDP0118	GAACAAGTAT	TAACCGCCGA
UDP0119	AATTGGCGGA	CTCCGTGCTG
UDP0120	GGCCTGTCCT	CATTCCAGCT
UDP0121	TAGGTTCTCT	GGTTATGCTA
UDP0122	ACACAATATC	ACCACACGGT
UDP0123	TTCCTGTACG	TAGGTTCTCT
UDP0124	GGTAACGCAG	TATGGCTCGA

Index neve	i7 bázisok adapterben	i5 bázisok adapterben
UDP0125	TCCACGGCCT	CTCGTGCGTT
UDP0126	GATACCTCCT	CCAGTTGGCA
UDP0127	CAACGTCAGC	TGTTTCGCATT
UDP0128	CGGTTATTAG	AACCGCATCG
UDP0129	CGCGCTAGA	CGAAGGTAA
UDP0130	TCTTGGCTAT	AGTGCCACTG
UDP0131	TCACACCGAA	GAACAAGTAT
UDP0132	AACGTTACAT	ACGATTGCTG
UDP0133	CGGCCTCGTT	ATACCTGGAT
UDP0134	CATAACACCA	TCCAATTCTA
UDP0135	ACAGAGGCCA	TGAGACAGCG
UDP0136	TGGTGCCTGG	ACGCTAATTA
UDP0137	TAGGAACCGG	TATATTTCGAG
UDP0138	AATATTGGCC	CGGTCCGATA
UDP0139	ATAGGTATTC	ACAATAGAGT
UDP0140	CCTTCACGTA	CGGTTATTAG
UDP0141	GGCCAATAAG	GATAACAAGT
UDP0142	CAGTAGTTGT	AGTTATCACA
UDP0143	TTCATCCAAC	TTCCAGGTAA
UDP0144	CAATTGGATT	CATGTAGAGG
UDP0145	GGCCATCATA	GATTGTCATA
UDP0146	AATTGCTGCG	ATTCCGCTAT
UDP0147	TAAGGAACGT	GACCGCTGTG
UDP0148	CTATACGCGG	TAGGAACCGG
UDP0149	ATTCAGAATC	AGCGGTGGAC
UDP0150	GTATTCTCTA	TATAGATTTCG
UDP0151	CCTGATACAA	ACAGAGGCCA
UDP0152	GACCGCTGTG	ATTCTTATTG
UDP0153	TTCAGCGTGG	TATTCCTCAG
UDP0154	AACTCCGAAC	CGCCTTCTGA

Index neve	i7 bázisok adapterben	i5 bázisok adapterben
UDP0155	ATTCCGCTAT	GCGCAGAGTA
UDP0156	TGAATATTGC	GGCGCCAATT
UDP0157	CGCAATCTAG	AGATATGGCG
UDP0158	AACCGCATCG	CCTGCTTGGT
UDP0159	CTAGTCCGGA	GACGAACAAT
UDP0160	GCTCCGTCAC	TGGCGGTCCA
UDP0161	AGATGGAATT	CTTCAGTTAC
UDP0162	ACACCGTTAA	TCCTGACCGT
UDP0163	GATAACAAGT	CGCGCCTAGA
UDP0164	CTGGTACACG	AGGATAAGTT
UDP0165	CGAAGGTTAA	AGGCCAGACA
UDP0166	ATCGCATATG	CCTTGAACGG
UDP0167	ATCATAGGCT	CACCACCTAC
UDP0168	GATTGTCATA	TTGCTTGAT
UDP0169	CCAACAACAT	CAATCTATGA
UDP0170	TTGGTGGTGC	TGGTACTGAT
UDP0171	GCGAACGCCT	TTCATCCAAC
UDP0172	CAACCGGAGG	CATAACACCA
UDP0173	AGCGGTGGAC	TCCTATTAGC
UDP0174	GACGAACAAT	TCTCTAGATT
UDP0175	CCACTGGTCC	CGCGAGCCTA
UDP0176	TGTTAGAAGG	GATAAGCTCT
UDP0177	TATATTCGAG	GAGATGTCGA
UDP0178	CGCGACGATC	CTGGATATGT
UDP0179	GCCTCGGATA	GGCCAATAAG
UDP0180	TGAGACAGCG	ATTACTCACC
UDP0181	TGTTTCGCATT	AATTGGCGGA
UDP0182	TCCAAGAATT	TTGTCAACTT
UDP0183	GCTGTAGGAA	GGCGAATTCT
UDP0184	ATACCTGGAT	CAACGTCAGC

Index neve	i7 bázisok adapterben	i5 bázisok adapterben
UDP0185	GTTGGACCGT	TCTTACATCA
UDP0186	ACCAAGTTAC	CGCCATACCT
UDP0187	GTGTGGCGCT	CTAATGTCTT
UDP0188	GGCAGTAGCA	CAACCGGAGG
UDP0189	TGCGGTGTTG	GGCAGTAGCA
UDP0190	GATTAAGGTG	TTAGGATAGA
UDP0191	CAACATTCAA	CGCAATCTAG
UDP0192	GTGTTACCGG	GAGTTGTACT

Módosítási előzmények

Dokumentum	Dátum	Módosítások leírása
Dokumentumszám: 200038118 v00	2023. július	<p>Első kiadás.</p> <p>A korábbi 200019584 számú dokumentum helyébe ez lépett. Az új dokumentum változásai az 200019584 v2 dokumentumhoz képest:</p> <ul style="list-style-type: none"> Hozzáadott tartalom a szekvenálás támogatására a NextSeq 550Dx készüléken a „DRAGEN for Illumina DNA Prep with Enrichment Dx alkalmazás NextSeq 550Dx-hez” használatával. Tisztázott reagensek nincsenek megadva lista. Incidenciajelentési információk hozzáadása a Figyelmeztetések és óvintézkedések részhez. Pontosított Dúsítási könyvtárak elvárásai. Utasítások hozzáadva a 400 mM Tris-HCl elkészítéséhez, pH 8,0. Eltávolították a szekvenálás előkészítése lépés tipográfiai hibáját. <p>A 200019584 számú dokumentum korábbi módosításai:</p> <ul style="list-style-type: none"> Hozzáadott tartalom a NovaSeq 6000Dx készüléken végzett szekvenálás támogatására. Szekvenálási rendszernevek és katalógusszámok hozzáadása. Egyedi kettős indexelési információk eltávolítása az egyszeres indexelt könyvtárakból.

Szabadalmak és védjegyek

A jelen dokumentum és annak tartalma az Illumina, Inc. és annak leányvállalatai („Illumina”) tulajdonát képezi, és kizárólag a jelen dokumentumban ismertetett termék(ek) szerződésszerű működtetéséhez használható. Egyéb célokra nem használható. A dokumentum és annak tartalma az Illumina előzetes írásos engedélye nélkül ettől eltérő célokra nem használható és forgalmazható, továbbá semmilyen formában nem kommunikálható, hozható nyilvánosságra vagy reprodukálható. Az Illumina a jelen dokumentummal nem biztosít licencet a termék vásárlójának a harmadik felek szabadalmi, védjegyjogi, szerzői jogi, szokásjogi vagy egyéb oltalom alatt álló jogosultságaihoz.

A jelen dokumentumban szereplő utasításokat a kvalifikált és megfelelően képzett személyzetnek szigorúan be kell tartania az itt ismertetett termék(ek) megfelelő és biztonságos használata érdekében. A termék(ek) használata előtt a felhasználó köteles átolvasni és értelmezni a jelen dokumentumban leírtakat.

AZ ITT SZEREPLŐ INFORMÁCIÓK ELOLVASÁSÁNAK VAGY AZ UTASÍTÁSOK BETARTÁSÁNAK ELMULASZTÁSA ESETÉN A TERMÉK(EK) MEGSÉRÜLHETNEK, ILLETVE SZEMÉLYI SÉRÜLÉS KÖVETKEZHET BE, IDEÉRTVE A FELHASZNÁLÓKAT ÉS MÁSOKAT IS, ILLETVE EGYÉB ANYAGI KÁROK KÖVETKEZHETNEK BE. EZENFELÜL ILYEN ESETEKBE A TERMÉK(EK)RE VONATKOZÓ GARANCIA ÉRVÉNYÉT VESZTI.

AZ ILLUMINA SEMMIFÉLE FELELŐSSÉGET NEM VÁLLAL AZ ITT BEMUTATOTT TERMÉK(EK) HELYTELEN HASZNÁLATÁBÓL FAKADÓ KÁROKÉRT (AZ ALKATRÉSZEKET ÉS A SZOFTVERT IS IDEÉRTVE).

© 2023 Illumina, Inc. Minden jog fenntartva.

Minden védjegy az Illumina, Inc., illetve az adott tulajdonosok tulajdonát képezi. A védjegyekkel kapcsolatos információkat lásd a www.illumina.com/company/legal.html weboldalon.

Elérhetőségek



Illumina, Inc.
5200 Illumina Way
San Diego, California 92122 U.S.A.
+1.800.809.ILMN (4566)
+1.858.202.4566 (Észak-Amerikán kívül)
techsupport@illumina.com
www.illumina.com



Ausztrál szponzor
Illumina Australia Pty Ltd
Nursing Association Building
Level 3, 535 Elizabeth Street
Melbourne, VIC 3000
Ausztrália

A termék címkéi

A terméken és a csomagolásán megjelenő címkéken látható szimbólumok teljes magyarázatát megtekintheti a support.illumina.com honlapon az Ön készletére vonatkozó *Documentation* (Dokumentáció) lapon található szimbólum ikonra kattintva.