

Комплект с реагенти NextSeq™ 550Dx High Output v2.5 (300 цикъла)

ЗА ИН ВИТРО ДИАГНОСТИЧНА УПОТРЕБА

Каталожен № 20028871

Предназначение

Комплектът с реагенти Illumina NextSeq 550Dx High Output v2.5 (300 цикъла) е набор от реагенти и консумативи, предназначени за секвениране на библиотеки с пробы, когато се използва с валидирани анализи. Комплектът е предназначен за използване с инструмента NextSeq 550Dx и аналитичен софтуер.

Принципи на процедурата

Комплектът с реагенти Illumina NextSeq 550Dx High Output v2.5 (300 цикъла) е набор реагенти и консумативи за еднократна употреба за секвениране на инструмента NextSeq 550Dx. За входни данни комплектът с реагенти Illumina NextSeq 550Dx High Output v2.5 (300 цикъла) използва библиотеки, генеририани от ДНК, където индексите за пробы и секвенциите за заснемане се добавят към амплифицирани цели. Библиотеките с пробы се заснемат върху поточна клетка и се секвенират на инструмента, като се използва секвениране чрез синтезна (SBS) химия. SBS химията използва обратим метод за прекратяване на удължаването за откриване на белязани флуоресцентно единични нуклеотидни бази, тъй като те са включени в нарастващи ДНК вериги. Броят на примерните библиотеки зависи от мултиплексирането, поддържано от метода за подготовка на библиотеката нагоре по веригата.

Листовката в опаковката на инструмента NextSeq 550Dx предоставя инструкции за извършване на секвениране на инструмента NextSeq 550Dx.

Функционалните характеристики и ограничения на процедурата за комплекта с реагенти NextSeq 550Dx High Output v2.5 (300 цикъла) са установени с помощта на модула за герминативна линия и соматичния вариант на Local Run Manager.

Ограничения на процедурата

- 1 За *in vitro* диагностична употреба.
- 2 Разчитания с инсерции и делеции (инсерции, делеции или комбинации), където дълбината на съдържанието е > 25 двойки бази (bp), не се подравняват от софтуера за анализ. Следователно инсерциите и делециите с дължина > 25 bp не могат да бъдат открити от софтуера за анализ.
- 3 Разчитането на ампликони с изключително съдържание на варианти може да не бъде подравнено от софтуера за анализ, в резултат на което регионът се отчита като див тип. Такова изключително съдържание включва:
 - разчитания, съдържащи повече от три инсерции и делеции,
 - разчитания с дължина най-малко 30 bp със съдържание на еднонуклеотиден вариант (SNV) > 4% от общата дължина на ампликона (без регионите на сондата),
 - разчитания с дължина < 30 bp със съдържание на SNV, > 10% от общата дължина на ампликона (включително регионите на сондата).
- 4 Големи варианти, включително многонуклеотидни варианти (MNV) и големи инсерции и делеции, могат да бъдат докладвани като отделни по-малки варианти в изходния VCF файл.

- 5 Вариантите на делеции могат да бъдат филтрирани или пропуснати, когато обхващат два ампликона с плочки, ако дължината на делецията е по-голяма или равна на припокриването между ампликоните с плочки.
- 6 Системата не може да открие инсерции и делеции, ако се появят в непосредствена близост до праймер и няма припокриващ се ампликон. За региони с припокриващи се ампликони анализът не може да открие делеции, когато регионът на припокриване е по-малък от размера на делецията, която трябва да бъде открита. Например, ако областта на припокриване между два съседни ампликона е две бази, анализът не може да открие никакви делеции, включително и двете бази. Може да се открие делеция на една база в която и да е от тези бази.
- 7 Както при всеки работен процес за приготвяне на библиотека, базиран на хибридирация, основните полиморфизми, мутации, инсерции или делеции в региони, свързващи олигонуклеотиди, могат да повлият на изследваните алели и следователно обозначаванията, направени по време на секвенирането. Например:
 - ▶ вариант във фаза с вариант в региона на праймера може да не се аmplифицира, което води до фалшиво отрицателен резултат,
 - ▶ вариантите в региона на праймера могат да предотвратят аmplифицирането на референтния алел, което води до неправилно обозначаване на хомозиготен вариант,
 - ▶ вариантите на инсерции и делеции в региона на праймера може да причинят фалшиво положително обозначаване в края на разчитането в съседство с праймера.
- 8 Инсерциите и делециите могат да бъдат филтрирани поради отклонение на верига, ако се появят в края на едно разчитане и са изрязани по време на подравняването.
- 9 Малките MNV не са валидириани и се отчитат само в модула за соматичен вариант.
- 10 Делециите се отчитат във VCF в координатата на предходната база за VCF формат. Следователно помислете за прилежащи варианти, преди да отчетете, че отделно обозначаване на бази е хомозиготна референция.
- 11 Специфични ограничения за герминативна линия:
 - ▶ Инструментът NextSeq 550Dx, използващ модула за вариант на герминативна линия на Local Run Manager за NextSeq 550Dx, е проектиран да осигури качествени резултати за обозначаване на вариант на герминативна линия (т.е. хомозиготен, хетерозиготен, див тип).
 - ▶ Когато се използва с модула за вариант на герминативна линия, минималното покритие на ампликон, необходимо за точното обозначаване на вариант, е 150x. В резултат на това са необходими 150 поддържащи фрагмента на ДНК, което е еквивалентно на 300 припокриващи се разчитания на сдвоени краища. Броят на пробите и общият брой целеви бази влияят върху покритието. Съдържанието на гуанин-цитозин (GC) и друго геномно съдържание могат да повлият на покритието.
 - ▶ Варирането на броя копия може да повлияе на това дали вариантът е идентифициран като хомозиготен, или хетерозиготен.
 - ▶ Вариантите в определен повторящ се контекст се филтрират във VCF файловете. Филтърът за повторения RMxN се използва за филтриране на варианти, ако цялата или част от секвенциите на вариантите присъства многократно в референтния геном, съседен на позицията на варианта. Изискват се поне девет повторения в препратката за обозначаване на вариант на герминативна линия и се вземат предвид само повторения с дължина до 5 bp (R5x9).
 - ▶ Инсерция и делеция и SNV в един локус могат да доведат до докладване само на един вариант.
- 12 Специфични ограничения за соматичен вариант:
 - ▶ Инструментът NextSeq 550Dx, използващ модула за соматичен вариант на Local Run Manager за NextSeq 550Dx, е проектиран да доставя качествени резултати за обозначаване на соматични варианти (т.е. наличие на соматичен вариант с вариантна честота, която е $\geq 0,026$ с граница на откриване 0,05).
 - ▶ Когато се използва с модула за соматичен вариант, минималното покритие на ампликон, необходимо за точното обозначаване на вариант, е 450x за олигонуклеотидно обединяване. В резултат на това са необходими 450 поддържащи фрагмента на ДНК на олигонуклеотидно обединяване, което е еквивалентно на 900 припокриващи се разчитания на сдвоени краища. Броят на пробите и общият брой целеви бази влияят върху покритието. Съдържанието на гуанин-цитозин (GC) и друго геномно съдържание могат да повлият на покритието.
 - ▶ Изискват се поне шест повторения в препратката за обозначаване на соматичен вариант и се вземат предвид само повторения с дължина до 3 bp (R3x6).

- ▶ Модулът за соматичен вариант не може да разграничава варианти на герминативна линия и соматични варианти. Модулът е предназначен да открива варианти в диапазон от вариантни честоти, но вариантната честота не може да се използва за разграничаване на соматичните варианти от вариантите на герминативна линия.
- ▶ Нормалната тъкан в пробата влияе върху откриването на варианти. Отчетената граница за откриване се основава на вариантната честота спрямо общата ДНК, извлечена както от тумор, така и от нормална тъкан.

Компоненти на комплекта с реагенти

Всеки компонент на комплекта с реагенти NextSeq 550Dx High Output v2.5 (300 цикъла) е предоставен в отделна кутия. Съхранявайте своевременно компонентите при означената температура, за да гарантирате правилното им функциониране. Следва списък на компонентите на комплекта с реагенти.

Таблица 1 Компоненти на комплекта с реагенти

Компонент	Количество	Номинален обем	Описание	Съхранение*
Касета с реагенти NextSeq 550Dx High Output v2 (300 цикъла)	1 във всяка	Различен	Реагенти за клъстериране и секвениране	-25°C до -15°C
Касета с буфер NextSeq 550Dx v2 (300 цикъла)	1 във всяка	Различен	Буфери и миещ разтвор	15°C до 30°C
Касета с поточни клетки NextSeq 550Dx High Output v2.5 (300 цикъла)	1 във всяка	Не е приложимо	За еднократна употреба, сдвоени краища, стъклена поточна клетка	2°C до 8°C
Кутия с аксесоари за NextSeq 550Dx (300 цикъла)	1 епруветка	12 ml	Буфер за разреждане на библиотеки	-25°C до -15°C

* Касетата с поточни клетки NextSeq 550Dx High Output v2.5 (300 цикъла) се доставя на стайна температура.

Номера на партида

Комплектът с реагенти има един номер на партида, който се нарича номер на партидата на комплекта с реагенти. Всяка кутия в комплекта с реагенти има отпечатан номер на партидата на комплекта с реагенти. Компонентите на комплекта с реагенти, които са вътре в кутиите, имат отпечатани специфични за компонентите номера на партиди, които се различават от номера на партидата на комплекта с реагенти. Съхранявайте консумативите за секвениране в техните кутии, докато са готови за употреба, за да поддържате асоциирането на партидата на комплекта. Вижте сертификата за анализ на комплекта с реагенти за подробности относно номерата на частите на реагентите и номерата на партидите.

Съхранение и обработка

- 1 Стайната температура се определя като температура между 15°C и 30°C.
- 2 Компонентите на комплекта с реагенти са стабилни, когато се съхраняват при посочените температури на съхранение до посочения срок на годност върху етикета.
- 3 Кутията с аксесоари за NextSeq 550Dx и касетата с реагенти на NextSeq 550Dx са стабилни за максимум едно размразяване до стайна температура преди изтичане на посочения срок на годност. Касетата с реагенти е стабилна до 6 часа при размразяване във водна баня на стайна температура. Като алтернатива касетата с реагенти може да се разрази при 2°C до 8°C до 5 дни преди употреба.
- 4 Промените във физическия вид на реагентите може да показват влошаване на качеството на материалите. Ако настъпят промени във физическия вид след смесване, например очевидни промени в цвета на реагента или помътняване, което е очевидно при микробно замърсяване, не използвайте реагентите.

Необходимо оборудване и материали, продавани отделно

- Инструмент NextSeq 550Dx, каталоген № 20005715

Предупреждения и предпазни мерки



ВНИМАНИЕ

Федералното законодателство ограничава това изделие да се продава от или по предписание на лекар или друг специалист, лицензиран от закона на държавата, в която практикува, да използва или предписва използването на изделието.

- 1 Комплектът с реагенти Illumina NextSeq 550Dx High Output v2.5 (300 цикъла) съдържа потенциално опасни химикали. Може да възникнат наранявания в резултат на вдишване, погълдане, контакт с кожата и контакт с очите. Носете предпазно оборудване, включително защита за очи, ръкавици и лабораторна престилка, подходящи за риска от експозиция. Третирайте използваните реагенти като химичен отпадък и ги изхвърляйте съгласно приложимите регионални, национални и местни закони и нормативни разпоредби.
- 2 За информация относно околната среда, здравето и безопасността вижте информационния лист за безопасност (ИЛБ) на адрес support.illumina.com/sds.html.
- 3 Неспазването на описаните процедури може да доведе до грешни резултати или до значително влошаване на качеството на пробата.
- 4 Използвайте обичайните лабораторни предпазни мерки. Не пипетирайте с уста. Не яжте, не пийте и не пушете в определените работни зони. Носете ръкавици за еднократна употреба и лабораторни престилки при работа с преби и реагенти за анализ. Измийте внимателно ръцете си след работа с преби и реагенти за анализ.
- 5 Необходими са подходящи лабораторни практики и добра лабораторна хигиена, за да се предотврати замърсяването на продуктите от PCR с реагенти, апаратура и геномни ДНК преби. PCR замърсяването може да доведе до неточни и ненадеждни резултати.
- 6 За да предотвратите замърсяване, уверете се, че зоните за предварително амплифициране и последващо амплифициране разполагат със специално оборудване (напр. пипети, накрайници за пипети, вортекс и центрофуга).

Инструкции за употреба

Вижте листовката в опаковката на *инструмента NextSeq 550Dx* и приложимите наръчници за справка.

Функционални характеристики

Вижте листовката в опаковката на *инструмента NextSeq 550Dx*.

Патенти и търговски марки

Настоящият документ и съдържанието му са собственост на Illumina, Inc. и нейните филиали („Illumina“) и са предназначени само за употреба по силата на договор от страна на клиента й във връзка с използването на продукта(ите), описан(и) в настоящия документ, и с никаква друга цел. Този документ и съдържанието му не трябва да се използват или разпространяват за никаква друга цел и/или по друг начин да бъдат съобщавани, разкривани или възпроизвеждани по какъвто и да е начин без предварителното писмено съгласие от страна на Illumina. Illumina не предоставя посредством този документ никакъв лиценз за свой патент, търговска марка, авторско право или права по силата на общото право, нито подобни права на която и да е трета страна.

Инструкциите в този документ трябва да се следват строго и изрично от страна на квалифициран и правилно обучен персонал, за да се гарантират правилната и безопасната употреба на продукта(ите), описан(и) в настоящия документ. Цялото съдържание на този документ трябва да бъде прочетено и разбрано напълно, преди да се използва(т) такъв(такива) продукт(и).

АКО ВСИЧКИ ИНСТРУКЦИИ, СЪДЪРЖАЩИ СЕ В НАСТОЯЩИЯ ДОКУМЕНТ, НЕ БЪДАТ НАПЪЛНО ПРОЧЕТЕНИ И ИЗРИЧНО СПАЗВАНИ, ТОВА МОЖЕ ДА ДОВЕДЕДО ПОВРЕДА НА ПРОДУКТ(ИТЕ), НАРАНЯВАНЕ НА ЛИЦАТА, ВКЛЮЧИТЕЛНО НА ПОТРЕБИТЕЛИТЕ ИЛИ ДРУГИ ЛИЦА, И УВРЕЖДАНЕ НА ДРУГО ИМУЩЕСТВО, И ЩЕ ОТМЕНИ ВСЯКАКВА ГАРАНЦИЯ, ПРИЛОЖИМА ЗА ПРОДУКТ(ИТЕ).

ILLUMINA НЕ ПОЕМА НИКАКВА ОТГОВОРНОСТ В РЕЗУЛТАТ НА НЕПРАВИЛНАТА УПОТРЕБА НА ПРОДУКТА(ИТЕ), ОПИСАН(И) В НАСТОЯЩИЯ ДОКУМЕНТ (ВКЛЮЧИТЕЛНО ТЕХНИ ЧАСТИ ИЛИ СОФТУЕР).

© 2021 Illumina, Inc. Всички права запазени.

Всички търговски марки са собственост на Illumina, Inc. или съответните им притежатели. За специфична информация относно търговските марки посетете www.illumina.com/company/legal.html.

Информация за контакт



Illumina

5200 Illumina Way

San Diego, California 92122, САЩ

+1.800.809.ILMN (4566)

+1.858.202.4566 (извън Северна Америка)

techsupport@illumina.com

www.illumina.com



Illumina Netherlands B.V.
Steenoven 19
5626 DK Eindhoven
Нидерландия

Спонсор в Австралия

Illumina Australia Pty Ltd
Nursing Association Building
Level 3, 535 Elizabeth Street
Melbourne, VIC 3000
Австралия

Етикетиране на продукта

За пълна справка за символите, които може да се срещат на опаковката и етикетите на продукта, вижте легендата на символите за вашия комплект на support.illumina.com в раздела *Documentation and Literature* (Документация и литература).